Anexo II.2: Resultados analíticos-geoquímica de rocas y menas

Análisis por ICP-MS-Digestión Multiácida 40B (50 elementos) - Laboratorio SGS.
Análisis de Au por ensayo al fuego - Laboratorio SGS.

Código	Au	Al	Ba	Ca	Cr	Cu	Fe	K	Li	Mg	Mn	Na	P	S	Sr	Ti	V	Zn	Zr	Ag	As	Be	Bi	Cd	Ce	Co	Cs	Ga	Ge	Hf	In	La	Lu	Mo	Nb	Ni	Pb	Rb	Sb	Sc	Se	Sn	Ta	Tb	Te	Th	Tl	U	W	Y	Yb
	ppb	%	ppm	%	ppm	ppm	%	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-001	142	7.19	735	1.74	174	3406	4.6	1.54	19	0.79	848	2.18	682	0.08	366.7	0.3	53	72	63	3.06	4	1.4	1.27	0.11	50.31	15.3	3.85	17	1.7	1.83	0.08	23	0.33	7.35	10.3	7.2	30.2	85.5	1.52	9.7	<2	1.8	1.67	0.6	0.7	7	0.54	1.3	2.1	21.5	2.3
ANTAB2-002	21	7.68	608	0.78	79	16110	6.01	2.5	20	1.16	843	2.3	658	0.26	184.2	0.27	91	202	35	16	11	1.2	2.04	0.57	36.66	25.7	5.22	20.9	0.4	1.07	0.2	16.9	0.19	9.06	7.4	5.9	782.7	133.9	1.37	7.1	5	1.5	1.1	0.37	0.89	6.5	0.75	3.2	4.1	12.9	1.3
ANTAB2-003	455	8.06	1044	2.13	282	303.9	3.08	1.88	17	0.99	464	3.08	704	0.08	464.9	0.37	92	40	20.3	0.57	2	1.7	0.52	0.05	38.97	8.9	3.05	21.1	0.3	0.85	0.06	18.9	0.2	3.94	9.2	8.1	20.5	71.5	1.1	10.1	<2	2.1	1.18	0.46	0.11	6.4	0.36	1.6	6.1	15.7	1.4
ANTAB2-004	18	8.22	1147	1.4	20	30.8	2.35	3.1	7	0.27	88	3.35	716	0.19	970.2	0.26	47	19	60.5	0.91	4	1.7	0.54	0.02	32.58	1.7	1.46	26.4	0.3	2.23	<0.02	15.4	0.03	9.93	6.9	4.4	23.1	111	0.52	2.2	<2	1.7	0.9	0.13	0.3	3.7	0.39	1.1	24.7	2.8	0.2
ANTAB2-005	11	7.03	830	2.33	173	58.9	2.69	2.26	16	0.96	585	2.76	589	0.01	769.3	0.28	75	49	31.8	0.62	2	2	0.13	0.04	45.55	10.1	3.09	19	0.3	1.28	0.02	22.4	0.15	4.38	9.8	15.2	28.1	86.7	0.47	6.5	<2	1.4	1.43	0.29	<0.05	8.9	0.43	1.7	0.5	10.4	1
ANTAB2-006	9	8.68	974	1.33	164	828.2	0.92	2.36	6	0.39	126	4.43	531	0.03	905.4	0.19	40	23	43.3	0.48	1	2.3	0.19	<0.02	35.06	2.8	1.32	24.6	0.3	1.59	0.03	15.5	0.06	4.96	6.9	5.6	8.1	77.7	0.57	2.5	<2	2	0.82	0.2	0.06	5.2	0.27	1.7	38.2	5.7	0.4
ANTAB2-007	5	9.22	504	6.67	20	162.9	3.94	0.7	5	1.41	751	2.95	578	0.04	624.2	0.35	71	32	90.8	0.17	3	1.3	0.18	0.02	46.95	15.4	0.28	19	0.3	3.04	0.07	17.5	0.41	7.32	11.6	7.9	12.6	14.8	0.88	14.6	<2	2	1.4	0.86	<0.05	3.3	0.06	0.6	0.6	32.9	2.8
ANTAB2-008	352	3.09	63	0.05	15	67100	32.54	0.82	4	0.11	132	1.39	201	>5	25.5	0.06	28	56	45.3	167	21	0.5	4.55	0.34	7.28	97.5	1.55	12.9	1.2	1.45	0.28	3.4	0.09	89.72	3.1	8.7	20.2	44.6	2.83	0.4	3	2.2	0.69	0.13	0.33	8.2	0.22	1.8	2.5	4.6	0.5
ANTAB2-009	14	6.67	127	0.48	186	2242	2.47	1.18	7	0.4	304	3.47	348	0.23	155.8	0.16	39	20	65.4	4.09	3	1.7	0.51	0.03	16.05	34	1.64	17.9	1	2.21	0.15	5.9	0.15	21.33	8.6	8.3	12.8	59.2	1.33	4.2	<2	1.6	2.09	0.21	0.08	14.2	0.34	3.5	4.6	7.3	1
ANTAB2-011	7	8.15	674	3.44	255	19.3	3.73	1.65	12	1.03	1098	2.44	616	<0.01	399.2	0.37	87	80	59.8	0.19	2	1.7	0.06	0.04	50.84	10.4	3.41	19.5	0.2	1.78	0.05	24.3	0.29	4.79	11.8	7.8	18.6	73.5	0.6	9.8	<2	2	1.66	0.53	<0.05	9.3	0.42	2.2	0.7	19.9	1.9
ANTAB2-012	<5	8.02	137	3.88	27	19.6	1.4	0.3	5	0.95	282	4.41	652	<0.01	381.9	0.38	81	18	33.9	0.12	2	1.5	0.04	0.08	37.01	2.3	0.48	20.5	0.2	1.17	0.04	12.6	0.23	7.31	10.7	6.1	12.3	8.5	0.53	9.5	<2	2.1	1.12	0.5	<0.05	9.6	0.06	2	0.5	17.8	1.5
ANTAB2-013	12	6.36	1188	0.2	179	61.4	3.12	5.75	9	0.58	243	0.96	521	0.09	317.1	0.1	64	28	30.8	0.28	36	0.7	14.6	<0.02	26.27	4.4	2.42	15.1	0.2	0.96	0.06	12.9	0.04	7.21	3.8	9.1	22.6	225.7	0.64	4.9	<2	1.4	0.73	0.1	7.15	7.4	1.03	2.5	3.5	5.1	0.3
ANTAB2-014	<5	7.78	771	2.96	252	12.3	3.55	1.79	13	0.97	823	2.33	623	<0.01	400	0.38	85	63	40.8	0.07	2	1.2	0.18	0.08	49.11	10	2.86	20.1	0.2	1.03	0.05	23	0.25	4	11.4	8.4	18.2	80.3	0.39	10	<2	2	0.96	0.53	0.11	8.5	0.43	1.8	0.5	18.8	1.7
ANTAB2-015	48	7.82	28	0.12	52	107.3	6.39	0.2	9	0.56	272	5.3	1267	0.31	83.3	0.25	125	26	23.7	1	77	0.9	5.22	<0.02	5.86	0.5	0.6	19.6	0.5	0.89	0.09	2.8	0.1	3.15	4.7	3.1	17.4	9.3	0.84	15	<2	0.8	0.53	0.13	0.85	11.9	0.06	1.4	16.9	4.4	0.6
ANTAB2-016	80	4.55	588	0.09	31	44	9.32	3.6	6	0.22	89	0.39	703	0.15	77.2	0.13	79	12	14.5	0.38	10	0.8	7.63	<0.02	8.21	5.4	3.86	15.1	0.3	0.49	0.11	4.7	0.04	44.59	3.8	5	21.3	199	0.98	4.4	3	1.8	0.46	0.07	2.51	4.7	0.86	1.1	23.7	3.1	0.3
ANTAB2-017	<5	7.76	881	2.47	172	14.5	3.05	2.53	8	0.99	507	2.99	612	<0.01	794.9	0.29	73	37	30.7	0.19	1	1.8	0.27	0.03	43.45	9.9	2.71	19.6	0.2	1.37	0.02	21.7	0.14	5.42	9.4	17.1	16.2	91.8	0.37	6.4	<2	1.7	0.89	0.28	0.08	9	0.44	2.2	0.6	10.3	0.9
ANTAB2-018	<5	8.2	920	2.69	283	8.5	3.05	2.5	14	1.11	618	3.12	702	<0.01	870	0.32	84	49	31	0.03	2	1.8	0.08	0.04	44.71	11.3	3.09	20.3	0.3	1.33	0.02	22.8	0.14	3.25	9.6	19.5	17.9	92.9	0.26	7.2	<2	1.3	0.93	0.29	<0.05	8.3	0.41	2.2	0.5	10.5	1
ANTAB2-019	<5	8.29	593	2.16	74	187.2	4.71	1.72	10	0.56	1360	0.59	569	0.01	385.9	0.29	96	77	27.6	0.45	112	2.4	1.59	0.11	55.44	20.7	37	24.1	0.4	1.14	0.03	31.6	0.27	5.4	8.3	18.9	29.8	73.2	3.82	12.1	<2	1.2	0.81	0.54	0.52	8.4	0.79	4.7	16.1	19.2	1.8
ANTAB2-020	43	6.56	527	0.27	22	413.4	8.63	1.35	6	0.48	217	2.81	535	2.19	163.4	0.18	76	29	28.2	1.05	10	1.2	3.3	<0.02	21.03	99.4	3.96	19.9	0.4	0.94	0.07	9.7	0.12	36.66	5.7	5	9.3	95.2	0.79	7.2	6	2	0.74	0.23	5.89	6.8	0.45	1.1	17.9	7.5	0.8
ANTAB2-022	<5	7.33	687	3.11	29	11.1	3.43	1.5	12	0.93	620	2.51	587	0.01	417.8	0.36	90	40	31	0.19	3	1.5	0.23	0.04	51.53	10	1.45	19.6	0.2	1.08	0.03	25.2	0.23	7.88	10.2	6.8	10.8	68.1	0.44	10.3	<2	1.5	0.97	0.53	0.08	8.7	0.34	1.2	1.9	18.1	1.7
ANTAB2-023	13	7.45	1180	1.52	122	13	1.64	2.37	13	0.49	390	3.02	445	<0.01	952.4	0.18	45	56	53.3	0.09	2	1.7	0.12	0.05	29.59	5.2	1.15	20.2	0.2	2.1	0.02	14.1	0.08	4.35	5.7	8.9	24.4	81.3	0.3	3.5	<2	1.6	0.8	0.19	<0.05	4.4	0.31	1.6	0.4	6.5	0.6
ANTAB2-024	6	8.41	818	3.48	186	9.7	3.71	1.47	12	1.26	523	3.15	627	<0.01	599.5	0.42	108	40	36.8	0.09	3	1.6	0.1	0.13	46.64	13	1.13	19.4	0.2	1.31	0.04	20.8	0.36	2.73	9.8	11.1	17.8	52.3	0.82	15.2	<2	1.8	1.3	0.63	0.08	5.3	0.25	1.2	0.8	25.6	2.5
ANTAB2-025	<5	7.73	1212	1.65	25	6.8	1.78	2.94	10	0.38	174	3.27	409	<0.01	1074	0.17	39	20	52.2	0.03	2	1.8	0.38	<0.02	22.2	2.7	1.2	19.9	0.2	2.19	<0.02	9.9	0.06	6.44	5.7	6.3	13.3	87.3	0.39	3	<2	1.1	0.67	0.17	<0.05	3.4	0.3	1.9	0.6	5.4	0.4
ANTAB2-026	<5	7.6	1185	2.31	128	7.9	3.05	2.61	8	1.03	564	3.01	632	<0.01	906.4	0.31	82	37	60.4	<0.02	2	1.8	0.23	<0.02	53.03	10.9	1.79	20.9	0.4	2.09	0.02	22.7	0.17	5.63	11.2	16.9	15.7	101.1	0.6	7.2	<2	1.5	1.3	0.38	0.07	9.3	0.44	3.1	0.8	13	1.2
ANTAB2-027	<5	6.49	3365	0.11	137	4.8	2.57	5.7	14	0.18	73	1.38	329	0.02	376.3	0.07	25	15	40.7	0.1	5	0.8	2.4	<0.02	13.54	0.9	2.65	14.2	0.2	1.56	<0.02	5.8	0.07	4.9	2.7	3.1	15.7	198.9	1.26	2.3	<2	0.8	0.42	0.09	0.65	2.7	1	3.4	2.7	3.6	0.4
ANTAB2-028	<5	6.91	971	2.26	46	37.9	2.99	2.37	9	1.01	549	2.58	620	<0.01	840.2	0.28	77	39	40.8	0.07	2	1.9	0.3	<0.02	46.46	12.1	1.91	20.4	0.3	1.54	0.03	22.7	0.14	8.99	9.1	17	16.3	96.2	0.4	6.7	<2	1.5	1.12	0.31	0.12	8.2	0.47	2.1	2	10.8	1
ANTAB2-029	<5	7.83	352	0.26	78	629.5	3.76	1.46	30	1.51	286	3.46	839	0.01	186.8	0.28	121	46	46.2	0.21	8	1.7	0.58	0.04	41	13.4	2.54	24.6	0.7	1.44	0.04	16.8	0.11	3.2	5.9	23	13.6	79.6	1.43	8.9	<2	1.4	0.6	0.23	0.12	5.5	0.39	2.5	12.4	6.9	0.7
ANTAB2-031	<5	7.5	917	2.28	109	20.1	2.82	2.23	8	0.88	633	2.55	611	<0.01	816	0.3	77	56	29.5	0.12	3	2.1	0.08	0.04	51.92	10.8	2.64	20.7	0.2	1.19	0.02	30.4	0.15	4.44	10.3	15.6	17.8	85.8	0.39	6.7	<2	1.4	1.05	0.32	0.07	9.8	0.41	1.8	1	12.3	1
ANTAB2-032	<5	7.55	729	2.99	113	11.6	3.14	1.78	14	0.81	610	2.53	555	<0.01	384.4	0.34	72	44	26.5	0.04	2	1.5	0.15	0.05	48.4	7.7	1.72	17.9	0.2	0.91	0.03	23.1	0.22	3.89	9.7	5.4	10.2	73.5	0.36	8.5	<2	1.4	0.75	0.46	<0.05	8.4	0.33	1.6	0.3	16.1	1.4
ANTAB2-033	<5	7.38	817	2.43	196	7.8	3.38	1.6	11	0.92	672	2.07	556	<0.01	421.5	0.33	81	48	36.5	0.08	2	1.5	0.17	0.04	46.91	9	1.29	18.9	0.2	1.15	0.04	22	0.24	4.2	10.1	6.8	10.6	56.5	0.5	9.2	<2	1.6	0.75	0.52	<0.05	8.5	0.27	1.4	0.5	18	1.5
ANTAB2-034	<5	7.04	84	3.09	24	6.9	1.36	0.26	3	0.98	458	4.72	541	<0.01	348.9	0.33	90	20	45.1	<0.02	3	1.8	0.16	0.03	25.25	2.4	0.18	21.4	0.2	1.43	0.05	8.1	0.21	6.6	10	6	5.7	5.5	0.63	10.4	<2	2	0.81	0.49	<0.05	8.1	0.04	2	1.7	17.3	1.6
ANTAB2-035	<5	8.44	405	4.95	55	19.3	4.43	0.92	9	1.88	939	2.59	675	<0.01	516.9	0.49	173	45	44.5	0.03	3	0.9	0.14	0.03	39.28	18.7	0.99	21.4	0.2	1.57	0.05	17	0.33	3.7	6.5	12.3	9.9	40.4	0.8	19.2	<2	1.9	0.62	0.57	<0.05	4	0.16	1	1.2	22.2	2.2
ANTAB2-036	<5	8.48	348	4.53	126	7.9	3.29	0.74	9	1.03	477	3.47	937	0.01	609.7	0.41	52	25	61	<0.02	3	1.4	0.07	0.04	66.31	6	0.39	19.8	0.3	2.12	0.04	23.3	0.49	2.84	12.3	5.2	9	13	0.49	12.3	<2	2.3	0.97	0.83	<0.05	5.7	0.04	0.9	0.3	30.7	3.2
ANTAB2-037	<5	6.96	181	3.92	26	74	1.74	0.48	5	1.1	511	3.05	616	<0.01	446	0.33	86	27	50.7	<0.02	2	1.7	0.13	0.04	37.09	3.9	0.39	19	0.3	1.59	0.04	13.6	0.23	7.74	9.9	6.9	7	15.1	0.55	11.4	<2	3.4	0.84	0.49	<0.05	8.2	0.07	1.7	0.5	17.8	1.6
ANTAB2-038	<5	7.76	732	3.04	99	33.5	3.42	1.95	10	0.97	732	2.37	601	0.01	397.2	0.37	83	56	27.2	<0.02	2	1.5	0.09	0.04	50.9	10.6	2.7	20.1	0.1	0.94	0.05	24	0.25	4.96	10.6	5.9	12.6	85.5	0.21	9.3	<2	2	1.04	0.53	<0.05	8.9	0.41	1.6	16.4	18.5	1.7
ANTAB2-039	131	5.41	925	0.16	268	127.1	3.42	2.93	54	0.85	274	1.47	504	0.06	154.7	0.14	81	71	39.4	0.99	23	1	1.75	0.13	31.97	10.2	2.5	17.9	0.3	1.18	<0.02	15.4	0.1	24.5	4.5	14.3	152	145.8	5.42	4.6	<2	1	0.54	0.18	0.79	5.5	0.77	3.1	10.7	6.3	0.6
ANTAB2-040	<5	7.5	1201	1.22	24	22.1	1.77	2.31	10	0.37	406	2.86	492	<0.01	980.6	0.18	45	51	39.9	0.18	3	1.8	0.29	<0.02	29.83	5	2.25	21	0.2	1.64	0.02	13.6	0.07	6.01	5.3	8.9	37.2	74.4	0.54	3.4	<2	1.1	0.46	0.18	<0.05	3.9	0.3	1.3	0.5	5.7	0.5
ANTAB2-042	<5	7.55	1187	1.9	103	46.8	2.36	2.22	14	0.79	611	2.95	702	<0.01	1164	0.25	69	67	46.1	0.36	2	2.2	0.14	0.08	44.98	9.4	2.3	23.4	0.2	1.76	0.03	21.3	0.13	4.73	8.2	13.5	22.3	92.7	0.46	5.6	<2	1.3	0.9	0.28	<0.05	6.5	0.44	1.9	0.9	10.3	0.9
ANTAB2-043	102	4.13	342	0.29	24	799.2	9.56	1.42	35	0.54	149	0.79	396	0.25	128	0.07	62	27	30.4	3.19	102	3	30.9	0.03	22.39	21.5	10.9	16.8	1.8	0.97	0.11	15	0.17	20.95	2.2	11.9	34.6	97.3	5.04	3.3	<2	0.9	0.35	0.29	13.5	4.5	0.49	7.6	5.9	8.8	1.1
ANTAB2-044	7	5.96	52	0.46	270	62.4	5.28	0.28	6	0.21	92	3.74	518	0.03	104.3	0.17	76	12	17.3	0.32	9	0.9	4.34	<0.02	21.85	2.1	0.58	16.2	0.3	0.66	0.08	11.7	0.05	3.44	5.1	7.3	9.2	14.3	0.8	3.5	<2	2.1	0.54	0.14	1.7	7.4	0.08	2.2	8.2	2.9	0.3
ANTAB2-045	<5	7.42	961	1.44	27	34	2.19	2.9	9	0.56	197	2.55	440	0.06	835.3	0.18	46	18	58.4	0.08	3	1.9	1.04	<0.02	28.49	5.6	2.27	20.7	0.4	2.02	0.04	12.9	0.11	5.98	6.1	10.5	10.8	146.6	0.92	3.5	<2	1.5	0.66	0.22	0.3	6.3	0.56	2.4	1.7	8.3	0.8
ANTAB2-046	5	5.97	1277	0.2	166	121.8	10.49	2.96	5	0.22	75	1.98	1171	0.04	181.3	0.19	133	11	31.2	0.07	22	1	5.18	<0.02	22.81	49.1	1.97	26	0.2	1.01	0.05	11.9	0.04	11.23	5.9	9.2	12.3	118.7	1.3	6.3	<2	1.5	0.68	0.08	2.17	6.9	0.52	6.4	11.3	2.4	0.2
ANTAB2-047	<5	5.1	208	0.93	243	61.9	4.54	1.04	12	0.54	280	2.14	412	0.1	108.8	0.14	67	22	19.3	0.14	4	0.9	2.23	0.02	17.26	6.9	3.93	14.6	0.1	0.63	0.13	9.1	0.07	9.86	5.1	13.1	16.7	86.5	1.84	4.6	<2	3	0.46	0.13	0.3	7.1	0.46	2.7	16.1	4.5	0.4
ANTAB2-048	<5	5.56	1332	0.06	207	40.7	4.39	4.98	6	0.11	62	0.88	428	0.3	305.1	0.12	50	33	16	1.58	42	0.7	27.8	0.05	10.12	3.7	1.99	11.5	0.3	0.62	0.1	5.5	0.03	9.28	4.5	8.5	80.7	199.2	0.56	2.3	<2	0.8	0.39	0.05	2.64	4.2	1	9.2	2.1	1.3	0.2
ANTAB2-049	<5	6.88	659	0.74	320	70.2	1.49	3.34	6	0.3	139	2.13	203	<0.01	330.2	0.1	30	22	37.8	0.19	2	1.3	0.36	<0.02	25.95	5.9	2.39	17.1	0.3	1.41	0.02	17.9	0.08	3.14	6.1	12.4	22.7	138.1	0.56	2.3	<2	30.8	4.02	0.12	0.07	19.3	0.61	2.4	1.2	4.8	0.5
ANTAB2-051	<5	8.22	919	1.98	201	11.7	3.11	3.01	11	0.89	489	2.5	600	<0.01	758.9	0.26	72	44	49.7	<0.02	4	1.8	0.71	0.03	46.16	11	2.67	21.6	0.3	1.97	0.05	22.6	0.14	7.14	10.2	17.7	20.9	132	0.75	6.3	<2	1.5	0.98	0.29	0.12	10.2	0.57	2.6	1.7	10.5	1
ANTAB2-052	<5	9.1	1279	1.59	93	4.4	1.38	2.36	8	0.28	98	3.51	275	0.17	1241	0.12	22	11	59.9	<0.02	2	1.9	0.45	<0.02	24.74	2.8	2.23	25.2	0.2	1.76	0.02	10.9	0.03	2.66	5.9	3.8	8.5	94.1	0.43	1.3	<2	1.3	0.51	0.1	0.12	3.2	0.4	1.4	0.7	2.9	0.2
ANTAB2-053	<5	7.37	780	2.5	42	11.3	2.7	2.11	8	0.94	592	2.49	623	0.02	792.2	0.27	76	47	45.6	<0.02	2	1.9	0.3	0.02	44.21	10.5	2.46	19	0.2	1.53	0.03	22.4	0.16	7.18	9.2	16.2	16.9	91.4	0.38	6.4	<2	1.3	1.02	0.3	0.11	8.8	0.39	2.4	0.6	10	0.9
ANTAB2-054	<5	7.64	817	0.86	185	45	3.05	3.33	15	1.04	632	2	615	0.14	478.6	0.19	71	35	33.8	<0.02	3	1.6	1.1	<0.02	34.99	15.7	3.37	19.9	0.2	1.15	0.04	14.6	0.11	6.53	6.9	19.6	15.3	131.8	0.86	6	<2	1.1	1.55	0.21	0.33	7.1	0.66	1.8	3.2	6.4	0.7
ANTAB2-055	<5	7.85	1196	1.08	147	19.9	1.53	2.24	14	0.47	225	3.02	470	<0.01	1045	0.18	43	48	39.7	0.03	31	1.9	0.13	0.02	27.27	6.1	3.11	20.9	0.3	1.51	0.02	12.4	0.07	2.51	5.8	9.4	17	89.7	1.01	3.1	<2	6.3	0.92	0.19	<0.05	3.8	0.57	1.5	0.7	6.1	0.5
ANTAB2-056	<5	9.25	1031	1.56	19	8.8	1.74	3.32	9	0.25	102	3.2	633	<0.01	899	0.26	45	24	71.8	<0.02	15	1.8	0.62	0.02	32.39	4	4.04	25.9	0.4	2.73	<0.02	14.6	0.04	5.02	6.6	6.9	11.9	123	0.52	2.3	<2	2.5	0.57	0.15	0.13	3.7	0.53	3.6	2.2	3.5	0.3
ANTAB2-057	<5	8.53	812	2.74	155	11.4	2.82	2.25	12	0.94	704	2.91	639	<0.01	955.3	0.29	76	48	50.5	0.26	1	2	0.11	0.03	49.79	10.7	3.1	21.2	0.2	1.6	0.03	23.5	0.16	5.87	10.7	17	17.4	87.3	0.31	6.6	<2	2.4	0.98	0.31	<0.05	10.6	0.43	2.2	0.9	11.2	1.1
ANTAB2-058	<5	8.69	1253	2.21	75	14.9	2.56	2.06	14	0.71	328	2.76	790	<0.01	1240	0.28	82	38	96.2	0.08	2	1.9	1.09	0.03	42.66	10.6	2.36	23.9	0.3	1.76	0.04	19.7	0.07	2.66	7.5	8.4	9.5	114.5	1.08	5.8	<2	1.2	2.34	0.22	0.19	2.4	0.57	1.1	7.6	7.2	0.6
ANTAB2-059	<5	7.4	1116	1.68	26	11.2	1.7	1.92	13	0.44	479	2.81	429	<0.01	1154	0.16	39	49	68.2	0.07	2	1.9	0.08	<0.02	30.09	5.8	2.33	20.1	0.2	2.35	0.02	14	0.09	6.18	5.9	10.1	21	80.9	0.41	3.1	<2	1	0.46	0.22	<0.05	4.2	0.31	1.5	0.6	7	0.6
ANTAB2-060	<5	8.05	878	1.98	151	266.6	2.59	2.74	9	0.93	466	2.47	590	0.02	759.8	0.26	71	41	28.3	0.08	1	2	1.35	<0.02	45.27	6.8	2.38	19.8	0.1	1.11	0.03	22.6	0.14	4.35	9.5	14.6	17.4	111.2	0.48	6.3	<2	2.8	0.86	0.29	0.74	11.1	0.48	2.9	1.1	10.2	1
ANTAB2-062	<5	7.6	1156	0.61	297	635.3	3.39	2.87	10	0.68	191	2.47	558	0.25	553.9	0.2	74	45	28.4	3.02	1	2	15.4	0.02	18.76	3.3	2.32	21.3	0.2	1.02	0.12	9.8	0.07	7.19	7.5	10.1	22.1	142.9	0.77	5.5	<2	1.1	0.66	0.12	8.02	9.3	0.64	3.1	3.4	4	0.5
ANTAB2-063	<5	7.94	884	1.66	27	29.3	2.19	2.34	10	0.57	152	2.7	418	0.2	891.4	0.18	44	19	57	0.39	3	1.8	0.56	<0.02	28.38	2.1	2.74	19.7	0.2	1.77	0.02	13	0.1	5.66	6	10.1	11.6	116.9	0.5	3.3	<2	1.3	0.67	0.22	0.12	6.1	0.48	2.3	2.1	7.8	0.8
ANTAB2-064	21	5.22	663	0.07	41	73.9	4	2.53	18	0.45	146	1.65	390	0.16	159.1	0.07	51	21	16.8	0.37	15	0.7	7.91	<0.02	10.34	4.7	1.79	13.8	0.2	0.49	0.03	5.2	0.03	48.29	2.1	8.8	10.6	127.2	0.77	3.2	<2	1	0.36	0.06	2.82	4.8	0.69	1	12	2.2	0.2
ANTAB2-065	<5	8.36	927	2.74	158	48.3	2.92	2.57	9	0.98	579	2.74	614	0.02	942.3	0.29	77	39	48.2	0.1	2	1.7	0.35	0.03	44.84	10.2	3.07	20.7	0.2	1.55	0.03	22.3	0.14	4.98	9.6	17.4	17.6	96.7	0.48	6.8	<2	1.1	0.85	0.3	0.11	8.5	0.45	2.2	1	10.9	1
ANTAB2-066	11	6.01	122	0.58	290	31.8	5.67	0.79	6	0.42	180	3.11	405	0.17	112.1	0.18	79	14	33.9	0.11	6	0.8	2.85	<0.02	48.32	1.6	1.46	16.6	0.2	1.01	0.09	24.3	0.06	21.23	6.3	12.3	9.7	62.9	0.98	4.7	<2	2.4	0.56	0.14	0.74	6.8	0.3	1.8	19.7	3.9	0.4
ANTAB2-067	<5	9.19	1085	1.29	22	9.7	1.46	2.84	6	0.24	116	3.57	265	0.1	1136	0.09	20	14	50.3	0.03	2	1.8	0.35	0.02	22	2.1	1.8	26	0.1	1.76	<0.02	10.3	0.03	5.58	4.4	5.4	9.2	98	0.3	1.1	<2	1	0.41	0.1	<0.05	2.8	0.42	1.1	1.1	3	0.2
ANTAB2-068	<5	9.35	1032	1.47	42	3.9	1.35	2.59	7	0.25	92	3.76	276	0.02	1211	0.12	21	14	69.4	<0.02	<1	1.8	0.14	0.03	22.98	1.5	1.35	26.4	0.3	2.31	<0.02	11.1	0.04	4.15	5.6	3	8	86.3	0.43	1.2	<2	1.1	1.28	0.12	<0.05	2.9	0.35	1.1	0.5	3.4	0.3
ANTAB2-069	<5	6.18	1469	0.08	317	143	3.41	5.43	13	0.59	181	0.4	462	0.08	223.7	0.08	62	47	23.1	0.42	8	0.7	3.77	<0.02	35.88	3	3.39	16.9	0.4	0.85	0.1	17.9	0.04	2.97	3.2	12.9	21.7	245	1.36	5	<2	0.8	0.34	0.11	1.04	5.1	1.25	2.4	6.1	2.6	0.2
ANTAB2-071	<5	8.25	1061	1.74	27	5.3	2.02	2.49	6	0.42	194	3.02	415	0.26	1108	0.18	44	23	55.4	<0.02	1	2	0.45	0.04	23.95	5	1.72	20.3	0.2	2.05	<0.02	10.8	0.07	7.09	5.3	7.4	15.2	79.1	0.32	3	<2	1.4	0.7	0.18	0.31	3.8	0.27	1.5	0.7	5.8	0.5
ANTAB2-072	<5	7.11	1023	0.61	154	15.5	5.05	3.03	9	0.64	188	1.9	530	0.23	455.3	0.16	66	30	20.7	0.03	3	1.4	7.47	<0.02	20.99	7.1	3.26	19.7	0.2	0.74	0.03	9.1	0.08	9.26	6.1	11.8	15.2	140.8	0.88	4.5	<2	2.7	0.61	0.14	3.97	7.4	0.69	2.1	7.2	4.4	0.5
ANTAB2-073	<5	6.65	1130	0.65	250	20.5	3.32	4.16	10	0.63	104	1.91	509	0.79	553.3	0.23	87	28	21	0.05	4	1.4	4.24	<0.02	29.55	3.4	4.57	17.5	0.3	0.87	0.02	14.6	0.08	26.61	7.6	10.1	19.2	179.5	0.86	5.4	<2	1.2	0.8	0.15	1.61	7.8	0.82	3	7.4	4.7	0.5
ANTAB2-074	<5	8.05	1202	1.18	31	123.3	2.76	3.55	9	0.47	139	2.55	412	0.36	807.7	0.19	45	23	64.7	0.08	3	1.5	6.81	<0.02	28.18	4	2.06	19.6	0.5	1.86	0.03	13.3	0.1	13.43	6.3	8.9	12.3	157.5	0.75	3.4	<2	1.8	0.77	0.22	3.94	6.3	0.64	2.3	15.4	7.5	0.7
ANTAB2-075	<5	8.7	328	0.74	86	338.2	4.31	1.11	7	0.37	185	4.87	535	1.9	228.2	0.2	68	23	28.8	0.29	10	1.5	9.41	0.03	45.05	5.5	1.46	20.6	0.4	0.91	0.19	23.1	0.1	7.68	7.9	6.8	7.6	71.8	0.84	4.9	<2	1.5	1.07	0.17	4.15	13.3	0.32	3	12.4	6	0.7
ANTAB2-076	<5	9.33	1248	2.81	146	900.1	10.31	4.32	29	2.23	1340	0.53	496	4.15	366.3	0.23	103	62	34.2	0.62	4	0.9	8.78	0.09	62.84	23.9	7.03	35.8	1.2	1.13	0.71	31.5	0.14	14.75	8.2	15.6	9.2	267.2	4.94	6.6	<2	2.3	0.82	0.29	2.64	11.1	1.13	3.6	46.1	11.8	0.9
ANTAB2-077	<5	7.58	1054	1.41	36	128.7	7.58	6.45	15	0.87	487	0.55	555	>5	384.3	0.18	93	45	31.9	0.22	5	0.5	26.3	<0.02	45.54	40	3.39	28.1	0.7	1	0.38	21.9	0.13	22.47	6.7	16.5	12.3	297.3	1.48	5.7	<2	2.7	0.62	0.25	13.8	13.9	1.22	3.4	5.2	8.8	0.8
ANTAB2-078	192	4.92	116	0.28	96	42.7	31.36	0.29	5	0.14	73	2.29	1308	0.13	96.1	0.17	371	15	41	0.44	319	0.5	29.8	<0.02	11.61	154.3	0.82	19.6	1.2	0.93	0.05	6.1	0.1	33.87	2.9	11	11.6	15.5	2.16	9.2	<2	1.9	0.28	0.14	14	2.2	0.08	3.5	26.2	5.7	0.6
ANTAB2-079	<5	7.58	911	0.9	54	12.7	3.29	2.59	6	0.65	169	2.69	558	0.12	734.1	0.25	71	27	51	0.08	4	1.6	4.02	<0.02	37.38	3.9	2.57	20.8	0.4	1.49	0.03	18.3	0.11	10.83	7.8	13.1	17	135.4	0.84	5.6	<2	1.5	0.81	0.25	1.78	7.6	0.64	2.5	26.5	8.2	0.7
ANTAB2-081	<5	7.06	209	0.19	129	73.5	3.33	1.97	9	0.89	219	3.18	666	0.09	150.4	0.16	81	24	21.8	0.34	1	1.1	1.33	<0.02	44.78	1.3	0.82	20.9	0.4	0.74	0.06	21.7	0.05	28.52	4.5	10.2	4.6	83.8	0.41	6.3	<2	1.2	0.39	0.16	0.57	6.2	0.35	6.2	21.4	4.4	0.4
ANTAB2-082	<5	7.41	878	2.35	209	6.6	2.66	2.19	7	0.8	566	2.5	531	<0.01	921.5	0.25	72	39	32	0.06	7	1.9	0.67	0.05	44.91	12.2	2.16	20.6	0.2	1.13	0.02	21.8	0.15	3.76	9.8	17.8	16.5	89.6	0.29	5.8	<2	1.3	0.94	0.31	0.18	8.9	0.44	2	1.1	10.5	0.9
ANTAB2-083	<5	7.97	919	2.65	44	31	2.96	2.47	7	1.06	644	2.57	746	0.08	1011	0.31	94	40	52.9	<0.02	1	2	0.25	<0.02	47.68	10.8	1.61	21.3	0.3	1.63	0.03	23.2	0.17	14.81	9.2	18.6	14.2	90.5	0.45	8.3	<2	2.4	1.14	0.36	<0.05	7.4	0.37	2.2	20.2	13	1.1
ANTAB2-084	<5	7.69	840	2.27	150	114.7	2.44	2.34	9	0.92	635	2.65	582	0.14	900.4	0.25	71	36	28.7	0.04	2	2.1	0.23	0.03	46.31	11.9	2.16	21.2	0.3	1.17	0.05	23.2	0.15	4.7	9	16.9	17.5	97.3	0.45	6.2	<2	1.7	1.08	0.3	0.07	12.7	0.39	3.5	1.3	10.9	1
ANTAB2-085	7	7.92	441	1.62	221	15.5	2.62	1.6	12	0.93	376	3.24	564	0.02	584.6	0.17	67	35	20.4	0.03	2	1.9	0.59	0.05	37.04	4.9	1.69	20.1	0.4	0.9	0.06	19.2	0.13	2.65	6	16.1	9.1	77	0.76	5.7	<2	1.1	1.02	0.26	<0.05	10.6	0.42	2.9	2.9	8.5	0.9
ANTAB2-086	<5	8.37	631	3.2	34	30.2	3.72	1.63	12	0.9	788	2.31	537	0.14	431.9	0.33	76	54	46.2	0.14	2	1.7	0.23	<0.02	50.94	9.6	3.49	19.7	0.3	1.26	0.03	25.9	0.19	8.57	10.3	8	12.7	80.4	0.38	8.5	<2	1.3	0.92	0.42	<0.05	7.9	0.42	1.6	1.4	15.1	1.4

Código	Au	Al	Ba	Ca	Cr	Cu	Fe	K	Li	Mg	Mn	Na	P	S	Sr	Ti	V	Zn	Zr	Ag	As	Be	Bi	Cd	Ce	Co	Cs	Ga	Ge	Hf	In	La	Lu	Mo	Nb	Ni	Pb	Rb	Sb	Sc	Se	Sn	Ta	Tb	Te	Th	Tl	U	W	Y	Yb
	ppb	%	ppm	%	ppm	ppm	%	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-087	<5	7.86	840	1.83	76	8.6	2.09	2.18	9	0.49	206	2.82	414	0.17	918.9	0.18	45	19	53.5	0.05	1	1.5	0.43	0.02	28.69	4.8	1.84	19.5	0.2	1.86	0.02	13.2	0.11	2.97	6	9.6	8.9	102.7	0.39	3.3	<2	1.2	0.62	0.21	0.11	6.3	0.39	2.3	1.2	7.8	0.7
ANTAB2-088	<5	7.79	857	1.88	269	1116	2.47	2.44	9	0.95	613	2.51	569	0.16	841	0.23	70	47	29.6	0.68	2	2.1	2.38	0.07	42.68	10	2.12	20.5	0.2	1.1	0.16	22.3	0.14	2.38	8.7	17.9	15.9	102.5	0.33	6.1	<2	1.1	0.87	0.28	1.2	9.3	0.46	2.1	0.9	10.4	0.9
ANTAB2-089	5	6.08	644	0.13	43	323.8	4.76	3.1	9	0.43	171	1.12	431	0.14	160.4	0.1	69	20	23.8	3.3	6	1.3	16	0.02	21.31	4.1	3.31	18.6	0.7	0.73	0.24	10.2	0.03	7.76	2.8	10.8	15.2	181.9	0.82	3.9	<2	1.9	0.39	0.09	4.11	4.6	0.85	1	3.9	2.4	0.3
ANTAB2-091	8	1.02	21	0.02	521	270.8	5.62	0.27	11	0.24	133	0.06	70	0.14	4.5	<0.01	45	16	6.3	1.33	10	0.2	23.9	<0.02	13.66	2.3	0.82	8.8	<0.1	0.15	0.17	5.9	0.05	3.19	1.5	11.1	6.8	19.5	1.58	4.3	<2	1.1	0.26	0.17	6.26	0.7	0.1	0.4	1.7	5	0.4
ANTAB2-092	<5	7.47	630	0.97	48	221.6	3.23	2.75	11	0.95	328	2.68	647	0.26	495.5	0.23	76	27	27.9	0.35	2	1.5	1.68	0.05	42.87	9.3	2.12	19.5	0.6	0.96	0.07	21.7	0.14	6.32	7.2	15.8	9.5	159.8	0.93	6.2	<2	2.5	0.69	0.27	0.38	9.2	0.81	2.6	16.1	10	0.9
ANTAB2-093	<5	7.66	1193	1.51	92	11.9	1.91	2.3	7	0.39	176	2.77	410	0.1	1109	0.17	40	31	46.2	0.1	2	1.8	0.49	<0.02	27.66	6.7	1.53	20.9	0.2	1.7	<0.02	12.5	0.08	3.16	6.5	7.1	16.1	86.5	0.29	2.7	<2	1.7	0.62	0.19	0.08	3.9	0.37	1.5	0.7	6.7	0.6
ANTAB2-094	<5	7.69	925	2.45	243	9.9	2.32	2.34	5	0.82	510	2.61	554	<0.01	953.2	0.25	68	36	43.2	<0.02	1	1.9	0.15	0.04	43.52	9.4	2.59	20.4	0.3	1.46	0.02	21.2	0.13	2.96	9.7	19.4	14.7	94.5	0.27	5.7	<2	1.2	0.93	0.28	<0.05	9.8	0.44	2.2	0.7	9.8	0.9
ANTAB2-095	<5	7.61	24	0.16	34	94.4	6.6	0.32	3	0.41	88	5.22	796	0.31	119.8	0.08	92	16	64.1	0.17	14	1.2	10.5	<0.02	15.62	8.3	0.42	27.2	1	1.56	0.11	8.6	0.07	14.12	2.5	5.2	11.9	20.6	0.44	5.1	4	0.9	0.79	0.11	7.25	11.3	0.15	2.5	4.4	3.9	0.5
ANTAB2-096	<5	7.21	728	1.96	148	11.6	3	2.23	20	0.84	780	2.4	601	<0.01	684.4	0.29	75	56	28	<0.02	2	2.1	0.12	0.02	47.34	10.9	3.26	20.4	0.2	1.15	0.03	22.5	0.15	4.39	9.7	18.2	16.4	85.4	0.29	6.1	<2	1.2	0.87	0.32	0.11	10.5	0.39	3.8	0.7	10.9	1
ANTAB2-097	<5	7.36	842	2.33	212	11.3	2.58	1.92	7	0.79	549	2.57	583	0.03	992.4	0.26	72	38	47.3	0.06	9	1.7	0.3	0.04	47.51	11.9	1.85	21.2	0.3	1.48	0.03	22.5	0.15	2.47	9.4	20.4	20.6	72.1	0.42	6.8	<2	1.2	0.89	0.34	0.11	7.9	0.35	1.7	0.9	11.4	1
ANTAB2-098	<5	8.21	1007	1.75	22	14.6	2.23	2.48	7	0.43	165	3.38	637	0.05	1104	0.25	49	20	55.6	<0.02	2	2	0.43	0.02	36.09	2.6	1.6	25.8	0.3	1.96	0.05	16.1	0.04	7.4	6.1	7.8	8.8	100.2	0.97	2	<2	6.9	0.5	0.15	0.08	3.6	0.41	1.3	1.9	3.7	0.3
ANTAB2-099	11820	2.37	103	0.03	291	15120	25.94	1.04	6	0.29	219	0.32	162	>5	6	0.04	29	50	18.8	17	50	0.6	611.4	0.61	7.55	291.1	1.84	8.3	0.8	0.49	1.82	4	0.05	4.03	2	41	72.8	69.6	1.45	1.1	8	1.5	0.34	0.07	2.94	2.5	0.26	0.7	3.2	2.8	0.3
ANTAB2-100	328	7.4	490	0.87	169	4249	3.31	2.97	11	0.87	1361	1.92	630	0.25	101.5	0.13	74	44	44.3	1.58	11	1.4	18	0.17	36.51	7.5	3	22	0.3	1.29	0.27	18.9	0.13	4.36	4.8	15.5	19.3	169.9	1.13	5.6	<2	1.2	0.73	0.25	0.06	9	0.65	1.5	7	8.8	0.9
ANTAB2-102	79	4.58	150	0.04	397	1497	10.04	1.22	4	0.17	77	1.47	428	0.13	38.8	0.13	69	12	26.7	22	27	0.9	10.4	0.09	13.81	18	1.66	15.7	0.7	0.85	0.94	6.7	0.04	4.21	4.6	12.4	41	68.5	1.42	3	12	1.7	0.41	0.07	0.73	4.7	0.26	4.8	22.7	2.2	0.3
ANTAB2-103	13	7.84	902	1.61	41	571.6	3	2.69	12	0.92	517	2.84	622	0.02	859.7	0.26	73	42	28.6	0.28	2	1.7	0.32	0.03	44.65	10	1.93	20.1	0.2	1.11	0.08	22.4	0.15	5.67	7.8	17.3	18.7	99.2	0.62	5.6	<2	1.2	0.79	0.29	<0.05	9.5	0.44	2.1	2.2	10	1
ANTAB2-104	<5	7.12	947	0.67	128	3895	2.81	2.64	11	0.91	635	2.65	634	<0.01	552.9	0.13	71	42	25.1	0.22	2	1.5	0.16	0.28	44.95	14.1	1.72	20.4	0.6	0.96	0.05	40.5	0.26	2.98	4.8	17.2	18.8	103	0.8	5.7	<2	1	0.54	0.66	<0.05	8.5	0.47	1.7	3.3	31.4	1.7
ANTAB2-105	78	4.47	22	0.06	363	20.1	4.15	0.26	5	0.35	103	2.88	408	0.62	38.2	0.06	31	13	15.1	0.25	31	0.6	3.36	<0.02	13.94	15	0.5	10.9	0.2	0.54	0.05	6.8	0.05	12.07	2.9	10.8	4.9	14.3	0.69	4.1	<2	1	0.32	0.09	0.49	6.9	0.05	5.2	19.7	2.8	0.3
ANTAB2-106	9	6	2855	0.04	51	1672	3.81	3.09	8	0.4	490	0.9	402	<0.01	98.6	0.15	55	29	26.4	0.65	4	1.5	3.33	0.06	38.12	31.2	4.68	14.3	0.4	0.92	0.09	18.2	0.09	14.98	4.7	12.9	19.5	174.3	1.7	5.4	<2	1.4	0.5	0.21	0.5	9.3	0.96	3.3	4.1	5.7	0.6
ANTAB2-107	29	6.6	1006	0.9	153	3516	2.7	2.34	9	0.79	347	2.41	550	0.14	698.8	0.17	56	46	23.6	2.22	2	1.9	0.99	5.78	31.35	12.8	2.44	19.2	0.3	0.82	0.19	15.9	0.1	754.05	6	14.8	19.1	112.1	0.71	4.5	2	5.6	0.62	0.22	0.16	8.2	0.53	4.1	1.7	7.7	0.7
ANTAB2-108	209	3.44	535	0.16	434	6827	6.69	1.29	6	0.33	183	1.16	369	0.57	153.9	0.07	51	24	32.5	25	12	0.8	28.5	2.91	15.33	10.2	3.11	13	0.3	0.85	0.96	8.6	0.05	10100	2.9	13.2	32.3	73.8	2.69	1.7	28	26.7	0.54	0.09	2.4	4.8	0.43	8.3	4.6	2.9	0.3
ANTAB2-109	21	7.9	771	1.2	147	2571	2.66	2.46	9	0.92	529	2.87	644	0.13	584.4	0.18	65	47	26	1.73	1	1.9	0.33	0.05	40.12	9.2	2.24	21.2	0.6	1.24	0.2	20.9	0.12	30.12	6.8	13	18.7	102	0.59	5.3	3	0.8	0.06	0.27	<0.05	9.3	0.43	2.6	2.5	8.1	0.8
ANTAB2-111	<5	7.69	904	2.07	239	122	2.59	2.45	10	0.99	522	2.85	659	0.01	681.3	0.27	73	39	20.7	0.1	1	1.8	0.09	0.05	40.1	10	1.73	20.4	0.3	0.86	0.03	20.7	0.14	1.49	8.9	15.3	16.6	84.9	0.48	5.8	<2	0.9	6.43	0.31	0.06	8.8	0.42	2.5	1.7	8.9	0.9
ANTAB2-112	25	6.05	1220	0.08	235	316.3	7.43	2.94	4	0.33	152	2.01	565	0.18	140.5	0.12	69	18	23.2	0.97	12	0.9	6.61	<0.02	26.25	44.5	1.8	19.6	0.3	0.72	0.08	14.6	0.04	5.91	3.9	7.7	14.1	121.5	0.62	4	3	0.7	0.16	0.11	1.75	5	0.52	1.1	10.8	2.4	0.3
ANTAB2-113	6	7.79	860	1.84	171	588.9	2.79	2.59	10	1.02	628	2.77	721	0.04	652.2	0.26	79	49	18.8	0.42	1	2.1	0.22	0.04	42.78	10.6	4.09	21.2	0.3	0.85	0.04	23	0.14	5.5	8.4	14.6	20.4	102.8	0.9	6	<2	1	0.58	0.32	<0.05	7.9	0.48	2.2	4.6	9.9	0.9
ANTAB2-114	2621	7.36	269	0.03	130	759.9	9.31	2.91	10	0.64	414	0.77	693	0.17	23.5	0.14	108	30	19.8	1.5	73	2	20.3	<0.02	51.96	96.1	15.5	24.6	0.2	0.65	0.21	25.9	0.06	40.97	4	11.1	34.9	190.1	1.99	4.9	3	1.2	0.14	0.17	0.97	7.3	0.73	17.1	11.3	3.3	0.4
ANTAB2-115	37	7.43	887	1.17	220	3055	2.97	3.11	11	0.99	370	2.42	629	0.2	500.5	0.2	69	42	35.2	3.01	1	1.7	0.28	1.22	32.73	13	3.4	20.7	0.1	1.11	0.15	19.3	0.09	156.82	6.2	17	15.7	131.5	0.52	5.3	<2	1.1	0.76	0.2	0.11	7.1	0.65	2.9	865.3	5.8	0.6
ANTAB2-116	10	6.18	316	0.37	256	465.4	1.01	4.84	5	0.21	179	1.77	130	0.04	197.6	0.07	20	14	32	0.31	1	2.6	0.24	<0.02	15.7	4.4	6.3	18.4	0.6	1.66	0.03	13.2	0.07	28.75	5	8	20.5	204.2	0.64	1.2	<2	0.6	0.52	0.06	<0.05	20.3	0.79	5.4	30.1	2.2	0.3
ANTAB2-117	10	7.93	1022	1.05	175	3873	3.07	2.81	8	1.07	471	2.84	708	0.01	482.1	0.18	78	40	32	0.13	1	2.1	0.17	0.13	42.46	10.5	1.82	21.7	0.4	1.02	0.04	23.7	0.14	1.41	6	14.6	13.7	107.9	0.45	5.5	<2	0.9	0.38	0.32	<0.05	8.6	0.45	2.2	6.7	9.5	0.9
ANTAB2-118	14	6.67	646	0.14	189	233.3	5.08	3.66	4	0.39	1874	0.64	531	0.11	108.1	0.12	78	81	16.2	0.26	15	2.4	0.93	0.15	51.98	20.1	3.11	18.7	0.4	0.49	0.14	23.7	0.26	3.02	3.7	19.3	13.1	192.4	0.6	10.2	<2	0.9	<0.05	0.55	0.28	6.6	0.75	7.3	6.1	17.9	1.8
ANTAB2-119	<5	7.83	842	1.94	145	15.1	2.61	2.35	17	0.7	618	2.77	701	0.02	703.5	0.3	75	55	43.9	<0.02	1	2.4	0.09	0.04	40.42	10.4	5.38	22.4	0.2	1.58	0.02	20.1	0.11	1.92	9.7	14.8	17.1	97.5	0.35	5.8	<2	1.1	0.51	0.25	<0.05	9.7	0.46	2.4	1.3	7.3	0.8
ANTAB2-121	<5	7.72	887	2.28	184	16	2.45	2.44	7	0.9	627	2.86	623	0.01	719.7	0.25	68	53	31	<0.02	<1	1.7	0.15	0.03	39.01	10	1.86	21.1	0.2	1.03	0.02	21	0.13	1.36	8	14.5	18.3	85.8	1.3	5.3	<2	0.9	1.5	0.28	<0.05	8.3	0.44	1.8	0.6	9	0.8
ANTAB2-122	<5	7.57	952	1.14	158	8.2	2.45	2.61	11	0.94	590	2.65	673	0.01	562	0.21	71	51	38.1	<0.02	1	2	0.12	0.11	33	10.6	2.69	21.1	0.2	1.15	0.02	17.8	0.11	2.19	6.9	14.5	18.6	109.2	0.92	5.6	<2	0.9	0.53	0.27	<0.05	7.6	0.59	2.2	2.3	7	0.8
ANTAB2-123	<5	8.18	898	2.45	152	10.8	2.52	2.55	10	0.95	588	2.73	665	0.01	617.9	0.28	73	49	13.5	<0.02	<1	1.8	0.09	0.04	32.24	10.5	2.7	21.6	<0.1	0.73	0.02	15.3	0.13	1.65	10.4	15.7	16.2	73	0.53	5.9	<2	1	2.02	0.26	<0.05	7.5	0.44	2.1	0.6	6.7	0.8
ANTAB2-124	<5	7.25	827	2.49	189	405.4	2.66	2.29	8	0.99	593	2.73	678	0.03	729.7	0.29	76	59	47.1	<0.02	2	2.1	1.09	1.55	48.76	11.2	1.55	22.1	0.2	1.56	0.04	25.2	0.17	187.58	10.4	15.8	15.7	85.2	0.47	5.8	<2	1.1	1.4	0.35	0.27	8.6	0.39	2.3	0.9	11.1	1.1
ANTAB2-125	<5	7.32	873	2.36	145	178.5	2.4	2.29	8	0.92	553	2.61	629	0.01	751.2	0.27	69	45	20.2	<0.02	2	1.7	0.47	0.65	42.26	10.6	1.52	21	0.1	0.95	0.03	22	0.14	55.36	9.3	15.2	15.5	80.7	0.42	5.4	<2	0.9	0.3	0.31	<0.05	8	0.4	1.7	0.8	9.2	1
ANTAB2-126	<5	7.3	880	2.38	179	11.1	2.45	2.38	8	0.91	558	2.69	637	<0.01	757.3	0.27	71	50	34.2	<0.02	2	1.9	0.12	<0.02	41.47	10.7	1.8	21.6	0.2	1.2	0.02	22	0.14	2.18	9.6	15.8	17.2	88.6	0.46	5.6	<2	4.7	0.6	0.29	<0.05	8.9	0.42	1.6	2.3	9.4	0.9
ANTAB2-127	<5	7.23	918	2.16	206	9.5	2.17	2.36	8	0.81	527	2.67	559	0.02	699.6	0.24	62	49	17.4	<0.02	1	1.8	0.08	0.02	37.38	9.3	1.66	20.6	0.1	0.72	0.02	19.2	0.12	1.43	8.9	13.8	17.1	87	1.28	5	<2	1.9	0.56	0.28	<0.05	7.7	0.44	1.5	0.3	8.2	0.8
ANTAB2-128	<5	5.39	177	0.52	211	27.7	0.72	3.44	3	0.1	146	1.82	65	<0.01	148	0.05	14	11	28.2	<0.02	1	3	0.08	0.04	12.06	2.4	3.55	18.6	0.5	1.43	<0.02	11.9	0.05	1.6	3.7	6.3	22.4	165.6	0.32	0.7	<2	0.4	0.95	0.05	<0.05	17.6	0.6	7.7	1	2.1	0.3
ANTAB2-129	<5	8.43	867	1.92	215	17.7	2.7	2.37	5	0.69	392	3.02	720	0.01	679	0.29	81	35	52.9	<0.02	2	2.4	0.17	0.03	43.29	9.5	2.03	23.3	0.3	1.51	0.03	21	0.13	2.89	9.4	14.3	17.3	96.9	0.41	6	<2	1.3	5.34	0.27	<0.05	9.3	0.39	2.3	1.7	8.4	0.9
ANTAB2-131	12	7	110	0.11	216	148.6	2.84	1.01	5	0.47	165	3.25	627	0.03	101.8	0.16	68	26	22.7	0.83	4	1.5	5.81	<0.02	30.44	2.6	1.4	20.8	0.4	0.77	0.09	16.4	0.08	1.24	5	7.6	30.8	71.5	0.72	6.4	<2	1.1	0.34	0.17	0.08	7.6	0.25	1.8	7	4.6	0.6
ANTAB2-132	<5	8.98	937	2.78	220	34.4	2.89	2.76	11	1.07	612	3.21	794	0.01	738.3	0.33	89	49	39.7	0.02	1	2.1	0.12	0.03	46.73	10.4	3.15	22	0.1	1.33	0.03	25.3	0.15	1.82	10.3	14.7	17.9	102.9	0.32	6.7	<2	1.3	0.38	0.34	<0.05	9.1	0.49	1.9	1.4	10.9	1.1
ANTAB2-133	<5	8.83	946	2.76	205	13.1	2.92	2.6	7	1.16	585	2.98	773	<0.01	739.8	0.34	90	45	27.9	<0.02	1	2	0.08	0.02	48.92	10.7	1.45	21.2	0.2	0.98	0.03	25.3	0.17	1.67	10.7	15.3	15	79.6	0.41	7.4	<2	1.5	1.28	0.37	<0.05	8.2	0.38	1.7	5.3	10.7	1.1
ANTAB2-134	5	7.77	936	2.56	199	21.5	2.64	2.52	7	1.05	544	2.83	717	<0.01	721.9	0.3	83	41	21.1	<0.02	1	1.9	0.08	<0.02	44.7	10.3	2.36	21.6	0.2	0.88	0.02	23.3	0.15	1.11	9.8	14.8	16	98.2	0.22	6.4	<2	1	0.68	0.34	<0.05	9.2	0.47	1.6	1.3	10.3	1
ANTAB2-135	<5	8.26	924	2.69	166	7.5	2.7	2.39	7	1.05	501	3.1	713	<0.01	762.3	0.32	86	39	33.4	<0.02	1	1.8	0.06	0.02	48.25	10.1	1.67	22.3	1	1.17	0.02	25.3	0.17	1.11	11.3	14.6	16.2	86.3	0.24	6.9	<2	1.1	1.27	0.37	<0.05	10.9	0.4	2	0.4	11.3	1
ANTAB2-136	4283	2.68	105	0.02	252	8253	21.5	0.98	4	0.15	79	0.74	344	0.64	6.8	0.05	67	10	23.2	57	54	0.7	9.38	<0.02	8.09	8.6	2.11	11.8	0.7	0.65	6.01	4.3	0.03	9.99	1.8	9.3	3.8	63.8	1.59	2.3	24	2.4	<0.05	0.07	1	3.2	0.25	2.8	11.2	1.8	0.2
ANTAB2-137	45	10.31	447	0.43	210	3048	3.03	2.75	6	0.96	725	2.62	813	<0.01	143.6	0.22	94	23	15.3	1	5	1.7	0.24	0.03	19.88	7.9	1.89	20.4	0.3	0.72	0.2	9.9	0.1	0.63	6.5	12.3	9.3	100.7	0.78	8	<2	1	0.36	0.19	<0.05	7.1	0.53	1.9	18.3	4.7	0.5
ANTAB2-138	1198	2.24	213	0.1	317	10010	14.14	0.84	8	0.44	417	0.72	684	0.93	61.2	0.05	45	20	24.4	37	8	0.6	4.45	0.17	13.63	10.2	0.83	7	0.7	0.66	3.33	6.6	0.05	17.38	2.2	11.1	7.8	39.4	1.49	1.9	15	1.1	<0.05	0.1	0.66	2.7	0.2	1.8	7.7	2.5	0.5
ANTAB2-139	266	5.12	38	0.06	168	29640	22.09	0.13	7	0.79	270	2.54	521	2.61	86.5	0.09	71	39	21.5	35	5	0.7	15.8	0.36	28.86	15.1	0.35	21.3	1.3	0.66	5.7	14.8	0.03	19.17	2.4	14.6	12.7	5.9	0.64	6.1	20	1.3	<0.05	0.07	0.79	5.6	0.03	2.1	4.7	1.4	0.2
ANTAB2-141	<5	7.6	1501	0.39	209	28	2.97	3.48	11	1.1	626	2.37	660	0.01	335.8	0.12	72	49	24.1	0.14	1	1.9	0.27	<0.02	37.52	7.8	2.56	20.4	0.6	0.8	0.08	20.3	0.09	0.9	3.9	12.9	10.7	149	0.77	5.6	<2	0.7	<0.05	0.22	<0.05	9.3	0.67	2.4	1.5	6.2	0.6
ANTAB2-142	<5	7.31	1194	0.3	241	29.8	8.42	2.87	6	0.75	305	1.69	784	0.05	361.7	0.17	126	37	30.2	0.23	12	2.1	13.5	0.04	25.8	19.7	2.22	21.8	0.3	0.89	0.03	15.9	0.07	5.02	6.1	12.4	14.2	110.4	0.97	5.9	<2	0.8	0.11	0.16	0.13	9.4	0.56	2.9	1.4	4.3	0.5
ANTAB2-143	<5	7.32	869	1.88	184	145.1	2.67	2.24	10	0.98	463	2.71	662	0.02	666	0.28	78	51	26.8	0.21	1	1.6	0.2	0.03	43.11	9.7	2.23	20.3	0.2	1.03	0.05	22.2	0.14	1.67	9.2	15.1	15.5	86.7	0.31	6.1	<2	1.1	0.67	0.3	<0.05	9.4	0.42	2.3	2.1	9	0.9
ANTAB2-144	<5	8.2	1080	0.6	145	27.3	1.65	2.51	12	0.54	428	3.24	533	0.01	708.6	0.13	47	50	37.1	0.1	1	1.8	1.05	0.07	26.34	5.3	3.15	20.2	0.3	1.31	0.02	12.7	0.07	0.54	3.7	7.6	27	84.2	0.47	3.2	<2	0.9	<0.05	0.2	<0.05	3.8	0.34	1.2	0.7	5.4	0.5
ANTAB2-145	<5	8.21	878	2.66	175	15.2	2.75	2.52	15	1.05	632	3	712	<0.01	692.9	0.31	85	60	21.1	<0.02	2	2.1	0.19	0.05	43.12	10.1	2.28	20.3	0.2	0.9	0.03	23.1	0.14	0.92	9.3	13.9	19.1	91	0.4	6.4	<2	1.1	1.1	0.31	<0.05	7.9	0.43	2	0.4	9.4	1
ANTAB2-146	<5	8.48	1165	1.78	173	9.8	1.69	2.76	16	0.52	364	4.03	400	0.01	963.1	0.2	49	51	118.1	<0.02	1	1.8	<0.04	0.02	28.78	6	1.77	22.3	1.5	3.15	0.02	14.8	0.09	2.38	6.2	9.6	21.8	89.8	0.58	3.5	<2	0.9	0.53	0.22	<0.05	4.4	0.33	1.3	0.2	6.6	0.6
ANTAB2-147	<5	8.21	1033	1.47	219	7.6	2.62	2.85	20	1.06	492	3.06	701	0.01	672.3	0.3	78	37	33.6	<0.02	2	2.1	0.06	0.07	40.58	9.8	2.33	20.8	0.3	1.21	0.02	21.6	0.13	1.24	8.9	14.2	21.8	106.8	1.07	6.4	<2	0.8	0.65	0.31	<0.05	10.4	0.49	3.1	1.2	9.3	0.9
ANTAB2-148	<5	8.89	1030	1.59	151	50.2	2.75	3.03	19	1.01	538	2.83	737	0.01	739	0.3	83	37	25.1	<0.02	1	2.3	0.04	0.07	40.4	10.1	4.5	21.3	0.2	0.9	0.02	19.3	0.12	1.64	9.1	13.4	14.7	109.9	0.46	6.8	<2	0.8	0.76	0.26	<0.05	8.6	0.58	2.3	1.8	7.3	0.8
ANTAB2-149	<5	7.78	918	1.82	199	8.4	2.51	2.62	8	0.9	665	2.7	672	0.02	662.9	0.24	77	41	43.7	<0.02	1	1.9	0.06	0.02	40.48	9.9	1.99	21.9	0.3	1.32	0.04	21.7	0.13	1.87	7.9	15.2	16.7	104.8	0.43	6.1	<2	0.8	1.03	0.3	<0.05	7.6	0.45	1.9	1.1	9.4	0.9
ANTAB2-151	<5	7.04	816	1.1	243	9.8	2.56	2.45	6	0.62	289	2.6	541	<0.01	534.7	0.18	64	39	18.1	<0.02	1	2.1	0.1	<0.02	34.31	7.1	2.79	20.2	0.3	0.73	0.02	19.9	0.11	0.89	6.3	13.8	14.3	98.5	0.54	4.8	<2	0.7	0.35	0.25	<0.05	8.9	0.47	2.7	0.8	7.3	0.7
ANTAB2-152	<5	8.59	898	1.07	275	18.9	8.31	2.75	7	0.68	576	2.19	761	0.01	393	0.24	89	52	60	<0.02	3	1.9	0.26	0.08	49.81	15.2	3.58	21.8	1.3	1.61	0.02	28.3	0.17	7.34	8.4	16.1	15.1	101.1	0.85	6.2	<2	0.9	0.41	0.34	<0.05	11.6	0.54	3	0.8	11.3	1.1
ANTAB2-153	<5	7.76	934	1.93	243	379.2	2.7	2.34	7	1	539	2.86	728	0.02	700.5	0.27	82	44	17.5	0.04	1	2.2	0.07	<0.02	40.03	10.3	3.57	21.5	0.3	0.72	0.04	22.4	0.16	2.02	8.6	16.5	15.5	92.2	1.04	6	<2	1.4	0.38	0.33	<0.05	6.8	0.43	2.7	3.3	10.6	1
ANTAB2-154	<5	10.38	351	0.72	89	9985	1.54	2.43	9	0.35	1188	4.73	981	<0.01	106.1	0.1	100	1284	16.8	11	31	2.9	0.12	19.6	53.41	4	7.5	24.8	0.9	0.68	0.14	37.3	0.17	0.83	2.8	10.5	17.7	133.3	193.2	8.4	<2	1.1	<0.05	0.34	<0.05	13.9	0.74	2	4.2	15.3	0.9
ANTAB2-155	<5	6.93	808	0.53	218	432.6	3.08	2.46	13	0.88	698	2.08	553	<0.01	259.8	0.12	67	54	12.7	0.09	2	1.3	0.81	0.08	26.93	22.2	2.58	18.2	0.3	0.48	0.07	13.5	0.08	0.86	3.8	12.6	13.9	106.2	2.19	5.8	<2	0.7	<0.05	0.17	<0.05	8.7	0.58	2.1	4.2	4.9	0.6
ANTAB2-156	<5	7.55	596	1.35	253	100.3	2.58	2.57	6	0.63	602	2.55	647	0.02	323.3	0.21	70	44	16.3	0.09	1	1.8	0.2	0.07	40.06	7.3	3.19	22.4	0.2	0.73	0.07	22.5	0.11	2.07	7.1	14.4	12.4	134.8	1.83	5.3	<2	1.1	0.62	0.28	<0.05	6.2	0.63	1.5	6.4	8.8	0.7
ANTAB2-157	<5	8.1	896	2.52	211	51	2.65	2.51	9	0.99	558	2.87	686	<0.01	723.8	0.29	81	53	36.7	<0.02	2	1.7	0.06	0.05	40.56	10.3	2.07	21.5	0.3	1.26	0.02	21.6	0.14	4.19	9.4	14.7	15.3	87.3	1	6.2	<2	2.2	0.94	0.3	<0.05	8.1	0.4	1.6	1.2	9.5	0.9
ANTAB2-158	<5	8.07	1003	2.48	163	28.2	2.44	2.53	5	1	467	2.81	706	0.01	741.7	0.29	82	34	20.5	<0.02	1	1.7	0.05	0.04	43.54	9.4	1.97	21.3	0.3	0.91	0.02	25.3	0.17	1.09	9.7	14.3	15	90.7	0.45	6.5	<2	1.1	1.55	0.38	<0.05	8.5	0.38	2.2	1.1	12.8	1.1
ANTAB2-159	<5	8.39	1008	1.23	220	2075	3.23	2.42	9	0.94	314	2.91	706	0.02	602	0.26	84	29	18.9	0.05	1	1.8	0.08	0.22	48.57	14.1	2.37	20.7	0.2	0.8	0.03	26.1	0.13	4.73	8.6	15.4	11.7	123.1	0.45	6.1	<2	0.9	0.73	0.3	<0.05	7.7	0.55	1.7	4	9.1	0.8
ANTAB2-161	1591	4.25	271	0.75	192	8156	19.31	0.7	7	0.53	181	1.73	442	0.8	372.5	0.15	98	18	41.9	38	16	0.7	5.56	0.12	256.18	24.1	1.52	18.7	1.7	1.17	3.99	139.4	0.09	24.19	6.5	14.1	35.1	58.2	2.45	14	13	1.8	<0.05	0.75	3.07	7.2	0.29	3.4	14.1	8.9	0.5
ANTAB2-162	<5	8.18	887	1.12	198	96.7	2.8	2.99	8	0.48	715	2.23	710	0.02	538.4	0.24	77	47	26	0.09	4	1.8	0.31	0.09	37.05	10.6	2.21	21.1	0.2	0.97	0.06	14.9	0.1	9.66	7.5	15.6	17.8	131.7	0.48	5.5	<2	0.9	0.41	0.2	<0.05	8.5	0.61	2.2	3.7	6.2	0.6
ANTAB2-163	<5	8.46	897	2.27	242	16.2	2.43	2.57	9	0.9	551	2.82	654	<0.01	717.6	0.28	77	44	28.9	<0.02	1	1.8	0.04	0.04	42.09	9.8	1.79	21.1	0.2	1.01	0.02	22	0.13	1.23	9.5	14.8	16.6	89.3	0.24	6.2	<2	1	0.8	0.3	<0.05	8.2	0.39	2.2	0.4	9.5	0.9
ANTAB2-164	<5	9.65	1481	1.54	51	179.3	1.77	2.24	3	0.24	57	3.54	722	0.08	848.8	0.25	50	18	53.4	0.33	1	2.1	1.16	<0.02	31.98	3	1.86	28.5	0.2	1.88	0.02	17.1	0.04	0.77	6.3	3.3	8.4	99.8	0.43	2	<2	1.1	0.46	0.17	0.53	3.7	0.35	1.2	3.3	3.5	0.2
ANTAB2-165	<5	8.8	1234	1.45	265	76.5	3.34	3.61	8	0.99	663	2.61	744	0.09	539.4	0.22	81	52	27.9	0.29	6	1.7	1.19	0.04	35.94	10.1	2.71	20.2	0.2	0.89	0.03	19.1	0.11	3.22	6.6	16.9	29.8	142.1	1.39	6.1	<2	0.7	0.07	0.25	<0.05	6.9	0.81	2.4	8.8	7.6	0.8
ANTAB2-166	7	9.56	904	0.72	271	333.3	3.03	3.82	9	1.13	1758	1.93	736	0.01	335.9	0.19	86	59	26.4	0.22	3	2.4	1.07	0.04	41.55	9.9	2.91	20.8	0.5	0.87	0.07	21.9	0.11	1.97	5.9	15.6	15.7	183.9	0.72	6.9	<2	1.1	0.25	0.26	0.06	10.8	0.88	3.2	12.7	7.1	0.7
ANTAB2-167	<5	7.09	259	0.34	194	311.4	2.61	1.82	10	0.73	1016	2.37	647	0.02	133.7	0.1	61	38	13.4	0.36	4	1.4	0.79	0.03	20.77	15.2	1.97	18.2	0.3	0.46	0.16	10.9	0.06	4.77	3.3	12.2	5.2	101.7	1	4.5	<2	0.7	0.53	0.13	<0.05	6.4	0.42	1.9	9.1	3.9	0.5
ANTAB2-168	8	8.83	5596	0.04	54	9.4	4.98	8.04	5	0.67	368	0.89	884	0.5	284.2	0.1	77	45	34.4	0.47	19	0.9	16.8	<0.02	74.59	2	6.98	20.6	0.7	0.98	0.1	39.7	0.08	14.38	3	4.8	40.2	450.2	1.12	8	<2	0.7	0.65	0.31	0.15	11.1	3.11	2.3	4.7	5	0.5
ANTAB2-169	<5	8.25	1172	1.35	117	13.9	1.54	2.23	8	0.5	332	2.85	591	0.02	953.7	0.17	48	42	36.9	<0.02	2	1.7	0.22	0.04	27.21	5.7	2.06	19.8	0.2	1.34	0.02	13.1	0.09	0.63	5.6	10.9	16	81.3	0.2	3.3	<2	0.9	0.82	0.22	<0.05	3.7	0.33	1	1	6.7	0.6
ANTAB2-171	<5	8.16	1029	1.93	220	18.4	2.52	2.61	6	0.84	436	2.74	661	<0.01	687.7	0.27	74	42	19.6	<0.02	1	1.6	1.89	<0.02	39.99	8.8	2.35	19	0.2	0.86	0.02	21	0.13	1.87	9.7	13.9	15.8	98.8	0.38	5.8	<2	1.2	0.64	0.31	<0.05	8.7	0.47	2.7	1.8	9.4	0.9
ANTAB2-172	<5	8.92	1072	2.3	240	12.8	3.16	2.46	8	1.01	609	2.97	782	<0.01	799.9	0.31	91	51	19	<0.02	2	2.1	0.1	0.05	44.33	12	2.09	20.6	0.2	0.85	0.03	23.5	0.15	1.56	9.5	16.7	15.7	87.6	0.24	6.7	<2	1.1	1.07	0.35	<0.05	7.8	0.42	2.2	1	10.6	1
ANTAB2-173	<5	8.67	999	2.52	196	13.1	3.06	2.39	6	1.02	629	3.1	693	<0.01	802.1	0.31	91	51	50.2	<0.02	2	1.7	0.17	<0.02	45.73	11.7	2.43	21.4	0.2	1.64	0.02	24.3	0.16	1.61	9.9	17.2	16.5	97.2	0.2	6.7	<2	1.1	0.77	0.36	0.07	7.7	0.48	2.1	0.7	11.4	1.1
ANTAB2-174	<5	8.89	991	1.78	250	12	2.94	2.88	8	1.06	706	2.61	742	<0.01	637.2	0.28	91	51	22	<0.02	1	2.2	0.12	<0.02	41.43	9.6	2.36	20.8	0.2	0.94	0.04	22.1	0.12	2.07	8.7	16.4	13.8	132	0.35	6.6	<2	1	0.79	0.29	<0.05	11.5	0.62	2.5	2.2	9.1	0.9
ANTAB2-175	<5	10.03	1364	0.22	59	130.1	1.82	3.24	8	0.52	130	3.2	527	<0.01	439.9	0.09	48	37	37.8	<0.02	1	1.3	0.85	0.03	11.1	2.8	3.07	21.3	0.2	1.36	<0.02	5.4	0.04	0.33	2.9	3.5	7.7	111	1.15	2.9	<2	0.7	<0.05	0.1	<0.05	2.5	0.62	1.5	1.5	2.6	0.3
ANTAB2-176	7	8.62	764	1.67	219	72.2	2.35	2.92	8	0.67	378	2.59	495	0.01	528.2	0.24	62	35	33.4	<0.02	2	2.1	1.63	<0.02	43.74	8.5	3.32	19.9	0.3	1.16	0.03	22.2	0.15	1.32	11.2	12.5	18.8	127.7	0.38	4.9	<2	0.8	1.25	0.27	0.06	13	0.6	3	1.2	9.2	1

Código	Au ppb	Al %	Ba ppm	Ca %	Cr ppm	Cu ppm	Fe %	K %	Li ppm	Mg %	Mn ppm	Na %	P ppm	S %	Sr ppm
ANTAB2-177	<5	8.18	950	1.72	257	237.5	2.49	2.81	7	0.83	413	2.72	662	<0.01	663.8
ANTAB2-178	<5	5.59	193	0.37	288	83.7	4.18	0.81	21	1.83	1691	1.6	401	0.01	36.9
ANTAB2-179	338	4.23	4316	0.05	286	5293	9.97	1.03	19	0.87	933	0.86	385	1.2	56.9
ANTAB2-181	1321	6.21	244	0.05	259	68	6.68	2.57	11	0.43	912	0.51	479	0.34	18.7
ANTAB2-182	22	4.29	133	0.08	281	393.5	2.13	1.27	17	0.6	761	0.91	395	0.01	14.7
ANTAB2-183	31	8.46	920	2.28	232	87.7	2.58	2.41	16	0.93	582	2.96	751	0.01	727.5
ANTAB2-184	<5	8.73	810	2.25	222	32.7	2.8	2.34	8	1.03	704	3.05	762	0.01	695.7
ANTAB2-185	<5	8.01	893	2.14	195	19.6	2.37	2.64	11	0.85	613	2.75	681	<0.01	660.1
ANTAB2-186	<5	7.54	761	1.66	276	221.3	2.73	2.74	11	0.69	437	2.63	587	0.05	506.3
ANTAB2-187	67	2.94	681	0.34	370	2549	13.14	1.7	5	0.19	149	0.69	528	2.29	102.5
ANTAB2-188	7	10.57	942	0.43	37	48.2	2.01	2.51	8	0.42	184	3.29	612	0.01	513.4
ANTAB2-189	<5	8.53	881	1.18	216	30	2.04	2.56	7	0.74	649	2.73	573	0.01	516.9
ANTAB2-191	14	7.92	625	0.8	231	704.8	2.62	2.38	7	0.85	951	2.62	682	0.01	364.4
ANTAB2-192	<5	9.11	561	0.66	176	22.5	2.54	1.71	6	0.69	584	3.22	694	0.01	373.7
ANTAB2-193	<5	8.13	1824	0.51	134	12.5	2.96	2.4	12	1.19	642	2.73	691	0.11	488.7
ANTAB2-194	<5	7.6	989	1.08	237	201.9	2.61	3.11	7	0.88	651	1.8	621	0.02	491.2
ANTAB2-195	5	7.76	743	0.21	166	5.6	2.28	1.99	10	0.89	431	2.97	538	<0.01	293.7
ANTAB2-196	<5	7.51	960	1.92	214	21.7	2.45	2.17	6	0.91	436	2.73	627	0.01	716.4
ANTAB2-197	<5	3.15	260	0.04	178	107	31.25	1.31	4	0.11	73	0.44	1742	0.08	17.4
ANTAB2-198	<5	8.63	954	1.69	57	8.1	1.53	1.96	10	0.38	335	3.31	508	0.01	858.7
ANTAB2-199	<5	7.38	930	0.47	213	366.7	2.86	2.61	8	0.83	368	2.56	585	0.05	450
ANTAB2-200	<5	7.97	950	1.49	192	14.4	2.39	2.41	8	0.82	443	2.75	585	<0.01	654.3
ANTAB2-201	<5	9.02	1256	2.99	35	22.7	3.56	2.04	35	1.29	804	2.64	1094	<0.01	777.3
ANTAB2-202	<5	8.32	1113	0.99	230	59.2	2.91	2.63	8	0.84	377	2.49	722	<0.01	579.7
ANTAB2-203	6	9.52	440	0.12	37	85.9	7.25	0.11	11	1.22	9138	4.99	654	<0.01	105.1
ANTAB2-204	<5	8	882	2.01	154	546.6	2.27	2.14	6	0.83	299	2.85	654	<0.01	690.4
ANTAB2-205	<5	8.7	969	2.26	215	333.4	2.57	2.36	8	0.92	450	3	700	0.02	799.9
ANTAB2-206	10	7.96	785	1.5	215	2614	2.59	2.14	8	0.97	411	2.66	731	0.09	687.8
ANTAB2-207	81900	1.56	715	0.04	291	3734	27.33	0.68	10	0.11	166	0.2	426	>5	16.1
ANTAB2-208	6	9.66	740	0.34	94	34.4	1.56	2.6	6	0.35	348	2.99	528	0.03	296.1
ANTAB2-209	31	6.15	112	0.09	214	12.9	7.37	0.55	11	0.93	530	3.05	470	1.1	70.6
ANTAB2-211	51	9.7	460	0.03	227	83.3	2.61	3.68	8	0.52	1465	1.24	410	0.02	32
ANTAB2-212	8	8.85	915	1.32	150	1327	2.14	2.43	8	0.78	250	2.96	590	0.06	622.3
ANTAB2-213	837	8.3	549	0.24	221	496.7	2.84	3.33	7	0.53	483	1.57	525	0.02	114.6
ANTAB2-214	6	6.37	107	0.28	305	7.3	2.4	0.46	15	0.95	1046	2.99	492	0.1	58.8
ANTAB2-215	50	9.39	524	0.3	165	613.2	2.61	3.93	7	0.6	1152	1.17	694	0.01	58.6
ANTAB2-216	<5	7.72	951	1.2	222	9.5	2.3	2.88	18	0.73	469	2.79	529	0.19	384.3
ANTAB2-217	103	6.07	5168	0.09	235	20290	7.44	2.66	13	0.38	292	0.51	411	0.62	23.3
ANTAB2-218	6	9.1	665	1.27	192	45.6	2.61	2.16	9	1.06	618	3.03	759	0.02	505.1
ANTAB2-219	<5	8.36	1000	1.95	317	440.8	2.48	2.66	6	0.88	470	2.81	618	0.02	665.3
ANTAB2-221	8	8.18	903	0.93	262	2448	2.47	2.77	9	0.92	349	2.43	668	0.03	478.2
ANTAB2-222	<5	9.6	895	0.41	35	23.5	1.91	2.49	10	0.62	301	3.46	568	<0.01	323.4
ANTAB2-223	476	8.32	617	0.05	281	784.3	4.74	3.56	10	0.46	554	0.87	460	0.01	74.4
ANTAB2-224	<5	8.38	1006	2.48	260	17.5	2.54	2.47	8	0.96	560	2.98	684	<0.01	803.1
ANTAB2-225	<5	8.15	961	2.36	258	11.2	2.44	2.39	18	0.88	566	2.86	648	0.01	781.6
ANTAB2-226	<5	8.81	780	1.61	194	91.7	2.7	2.35	6	0.65	533	2.73	754	<0.01	663.9
ANTAB2-227	8	8.94	932	1.56	231	16.8	2.52	2.26	7	0.66	658	2.65	501	<0.01	687.3
ANTAB2-228	<5	7.94	813	1.08	198	10	2.82	2.58	5	0.57	198	2.36	513	<0.01	545.8
ANTAB2-229	<5	8.25	1208	1.33	133	12.1	1.66	2.24	8	0.52	253	2.89	618	<0.01	968.3
ANTAB2-231	<5	7.99	981	2.18	266	382.7	2.46	2.52	6	0.9	532	2.72	642	0.01	773.1
ANTAB2-232	<5	7.91	1037	2.23	258	62.2	2.38	2.46	7	0.88	483	2.84	614	0.01	780
ANTAB2-233	5	8.3	1049	1.96	160	1276	2.44	2.54	12	0.85	429	2.77	699	0.03	730.4
ANTAB2-234	4860	4.16	229	0.09	405	1399	5.03	1.86	52	0.38	201	0.21	326	0.76	16.2
ANTAB2-235	115	8.11	247	0.12	236	149.1	2.51	1.69	7	0.44	117	2.97	669	0.07	177.2
ANTAB2-236	10	9.86	199	0.14	48	60.7	3.83	1.33	3	0.21	38	5.26	427	0.11	270
ANTAB2-237	68	6.74	205	0.04	210	16.2	5.71	1.99	6	0.31	182	1.7	545	0.08	51.7
ANTAB2-238	3307	3.36	203	0.01	324	124.9	4.41	1.71	13	0.2	56	0.14	212	0.52	5.5
ANTAB2-239	20	8.68	1086	2.18	179	19.6	2.45	2.58	6	0.92	507	3.13	660	0.01	821.7
ANTAB2-240	9130	3.96	507	0.07	434	9147	5.57	1.59	16	0.17	93	0.56	269	2.07	31.1
ANTAB2-242	465	8.39	737	1.64	263	269.6	2.42	2.58	8	0.71	822	2.91	646	0.03	444.8
ANTAB2-243	6420	4.41	604	0.21	426	14670	3.68	1.98	16	0.19	148	0.98	288	2.78	58.5
ANTAB2-244	<5	8.18	993	2.02	185	536.8	2.29	2.52	7	0.7	601	2.76	626	0.01	706.3
ANTAB2-245	28	7.01	716	1.19	273	2789	2.25	2.21	9	0.54	569	2.46	582	0.29	354.4
ANTAB2-246	<5	9.07	1088	2.14	202	30.2	2.44	2.87	7	0.85	608	2.92	697	<0.01	766.7
ANTAB2-247	<5	8.51	342	0.11	153	55.6	1.86	2.29	19	0.67	581	2.05	334	<0.01	109
ANTAB2-248	<5	8.36	848	2.12	251	11.6	2.36	1.97	8	0.94	746	2.96	681	<0.01	775.6
ANTAB2-249	21920	5.15	299	0.14	283	20230	22.6	1.75	10	0.55	863	1.19	508	>5	68.8
ANTAB2-251	88	6.02	349	0.1	224	283.8	7.08	2.12	8	0.51	373	1.71	546	0.75	117.2
ANTAB2-252	13	6.59	250	0.04	311	80.4	8.35	2.71	6	0.32	132	0.75	1095	0.04	28.9
ANTAB2-253	11	8.86	881	1.79	109	35.6	1.6	2.38	11	0.54	390	3.13	558	0.02	589.7
ANTAB2-254	14	4.29	89	0.06	137	154	0.99	1.16	118	0.21	181	0.53	265	<0.01	24
ANTAB2-255	7	8.39	947	2.44	252	13.4	2.56	2.5	8	0.95	582	3	689	<0.01	807.6
ANTAB2-256	9	8.23	1007	2.49	219	76.7	2.41	2.39	6	0.88	604	2.87	638	0.02	784
ANTAB2-257	<5	8.78	963	2.15	127	66.5	2.43	2.91	6	0.9	586	2.69	675	0.03	718.9
ANTAB2-258	<5	8.7	886	1.84	231	24.6	2.72	2.5	7	0.86	593	3.07	730	<0.01	741.1
ANTAB2-259	6	7.99	1022	1.96	247	11.4	2.47	2.68	7	0.88	589	2.77	679	<0.01	740.1
ANTAB2-261	42	7.09	845	0.62	227	1443	11.18	2.73	5	0.31	264	1.82	727	0.05	373.1
ANTAB2-262	134	3.78	148	0.05	321	1185	6.91	1.76	11	0.22	467	0.29	352	0.32	10.1
ANTAB2-263	<5	8.38	763	0.86	133	1246	2.78	3.96	11	0.76	956	1.51	753	0.13	139.3
ANTAB2-264	<5	8.05	938	1.7	245	16.2	2.45	2.34	7	0.9	603	2.77	669	<0.01	746.2
ANTAB2-265	<5	8.8	1336	1.44	69	9.3	1.59	2.72	9	0.5	491	2.9	517	<0.01	986.9

Código	Ti %	V ppm	Zn ppm	Zr ppm	Ag ppm	As ppm	Be ppm	Bi ppm	Cd ppm	Ce ppm	Co ppm	Cs ppm	Ga ppm	Ge ppm	Hf ppm	In ppm	La ppm	Lu ppm	Mo ppm
ANTAB2-177	0.26	73	36	18.5	0.08	1	2	0.12	<0.02	41.28	8	2.87	20.2	0.2	0.79	0.04	21.7	0.14	2.4
ANTAB2-178	0.07	67	134	14.3	0.1	<1	0.8	0.44	0.02	31.66	10.7	1.91	15.9	0.4	0.42	0.12	16.3	0.05	1.17
ANTAB2-179	0.05	64	116	20.4	21	77	0.9	38.8	0.24	9.58	43.9	2.41	12.9	0.5	0.53	2	5	0.06	17.59
ANTAB2-181	0.1	72	37	16.4	1.03	14	1.6	8.22	0.15	29.83	25.4	4.5	16.5	0.4	0.48	0.16	16.1	0.06	25.3
ANTAB2-182	0.07	43	42	15.8	2.93	3	1	103.7	<0.02	25.75	7.7	2.11	10.5	0.2	0.5	0.14	14.3	0.05	1.23
ANTAB2-183	0.28	77	51	42.6	0.13	1	2.1	1.49	0.03	42.07	10	3.5	20.5	0.2	1.35	0.03	22.3	0.14	2.22
ANTAB2-184	0.31	85	57	21.9	<0.02	1	2.5	1.1	0.08	46.94	11.5	3.86	21.6	0.2	0.98	0.03	25	0.15	1.16
ANTAB2-185	0.27	70	51	35.2	<0.02	2	1.7	0.38	0.08	44.06	10.1	3.23	19.6	0.4	1.28	0.03	23.8	0.14	1.24
ANTAB2-186	0.2	58	43	32.7	0.96	3	2.1	5.18	<0.02	37.38	15.8	2.99	18	0.2	1.19	0.07	20.6	0.12	9.42
ANTAB2-187	0.06	48	38	9.7	83	24	0.8	146.7	0.1	13.75	94.6	1.93	7.4	0.7	0.32	1.6	7.4	0.05	71.35
ANTAB2-188	0.14	52	35	38.5	0.12	2	2	0.51	0.02	15.1	6.2	2.77	25.6	0.3	1.29	0.02	8.2	0.03	0.53
ANTAB2-189	0.17	58	43	16.5	0.08	1	2.1	0.22	0.04	35.56	7.3	3.84	22.2	0.2	0.62	0.05	17.7	0.06	1.7
ANTAB2-191	0.16	68	45	25.9	0.21	2	1.8	0.6	0.04	35.06	13.3	2.06	20.5	0.2	0.87	0.14	18.7	0.1	3.21
ANTAB2-192	0.13	77	29	27.5	0.04	1	1.9	0.2	<0.02	34.91	6.3	1.76	20.3	0.4	0.83	0.05	18.2	0.12	0.65
ANTAB2-193	0.15	72	68	27	0.16	4	2.3	1.76	0.03	37.5	12.4	2.28	21	0.4	1.07	0.1	17.6	0.12	2.05
ANTAB2-194	0.19	67	45	16.6	0.11	7	1.7	1.9	0.06	49.72	9.1	2.67	19.4	0.3	0.74	0.14	18.8	0.11	1.17
ANTAB2-195	0.1	55	60	30.5	0.05	2	1.2	0.47	0.04	38.19	9.5	2.25	17.2	0.4	0.87	0.03	18.2	0.07	0.89
ANTAB2-196	0.27	73	37	21.7	<0.02	1	2.4	0.58	0.03	49.46	7.7	1.98	19.9	0.3	0.94	0.06	23.3	0.16	1.63
ANTAB2-197	0.11	97	22	49.4	0.1	10	0.7	182.7	0.05	19.8	8	4.18	28.2	1	1.25	0.74	8.6	0.09	4.5
ANTAB2-198	0.17	35	30	44.5	0.12	1	1.6	0.54	0.02	31.53	5.6	3.98	24.3	0.3	1.54	0.03	13.8	0.05	0.74
ANTAB2-199	0.11	61	42	37	0.4	1	1.4	10.8	0.03	42.16	17.1	3.22	20.1	0.4	1.01	0.06	20.3	0.12	1.69
ANTAB2-200	0.19	64	35	36	0.02	1	2.1	1	0.02	42.57	6.4	3.63	20.7	0.3	1.03	0.07	21.5	0.14	1.1
ANTAB2-201	0.44	103	106	113.4	<0.02	4	1.9	0.12	0.09	58.4	11.9	6.47	22.3	0.2	3.28	0.06	25.6	0.14	0.86
ANTAB2-202	0.2	73	44	25.6	<0.02	3	1.6	0.94	<0.02	41.14	12.9	2.83	20.2	0.3	0.83	0.07	18.1	0.11	1.85
ANTAB2-203	0.07	58	95	17.4	0.09	7	1.5	3.5	0.16	61.99	30.5	2.82	21.2	0.7	0.49	0.1	27.4	0.17	2.02
ANTAB2-204	0.27	77	32	29.6	0.03	1	2	0.29	<0.02	48.94	6.7	2.85	19.6	0.3	1.1	0.04	23	0.15	15.39
ANTAB2-205	0.27	77	37	18.5	<0.02	1	2.3	0.11	0.04	46.6	10	3.35	21.6	0.2	0.91	0.04	22.3	0.14	10.75
ANTAB2-206	0.23	74	48	23.9	0.63	2	2.2	0.42	1.2	52.13	13.5	3.38	20	0.3	0.83	0.12	23.6	0.16	490.7
ANTAB2-207	0.03	33	22	18.7	31	22	0.6	53.7	0.05	4.31	87.3	1.79	6.5	1.8	0.48	1.02	2.1	0.04	20.4
ANTAB2-208	0.09	48	61	23.9	0.09	8	1.7	0.26	0.05	21.63	5.1	3.84	20	0.3	0.96	<0.02	9.3	0.05	1.06
ANTAB2-209	0.12	74	75	24	0.39	4	0.5	3.6	0.14	43.11	23.9	0.87	18.5	0.6	0.72	0.05	22.4	0.06	14.33
ANTAB2-211	0.12	73	57	16.2	0.15	1	3	0.26	0.07	51.16	7.7	9.39	24.4	0.4	0.51	0.15	23.3	0.09	1.88
ANTAB2-212	0.21	63	34	31.9	0.47	1	2	0.09	0.05	35.87	9.2	3.33	21	0.2	0.93	0.06	16.7	0.09	2.07
ANTAB2-213	0.16	59	37	27.3	0.24	1	1.7	1.92	<0.02	39.66	19.6	5.33	21.4	0.2	0.79	0.1	18.7	0.07	18.91
ANTAB2-214	0.07	45	93	11.8	0.11	3	0.6	1.65	<0.02	31.54	7.8	1.2	11.7	0.2	0.35	0.07	14.2	0.04	1.75
ANTAB2-215	0.17	76	65	26.7	0.4	26	2.4	3.12	0.11	55.76	16.9	12.2	23.7	0.5	0.87	0.16	23	0.12	4.87
ANTAB2-216	0.13	56	46	19	<0.02	2	1.8	0.28	<0.02	41.49	8	4.27	17.8	0.3	0.67	0.03	20.4	0.11	1.02
ANTAB2-217	0.1	61	51	21.6	15	3	1.6	5.1	0.14	39.73	8.9	7.41	17.6	1.1	0.72	1.11	17.7	0.07	20.74
ANTAB2-218	0.23	83	54	16	0.09	1	2	0.09	0.04	39.91	8.1	2.63	20.9	0.2	0.64	0.04	17.5	0.12	1.04
ANTAB2-219	0.27	74	36	20	0.35	1	2.1	0.07	<0.02	46.81	9.7	3.44	20.5	0.2	0.81	0.03	22.6	0.15	5.34
ANTAB2-221	0.19	75	52	16.7	1.2	2	1.6	0.21	0.05	39.68	13.3	3.74	19.9	0.3	0.57	0.11	18.3	0.13	9.69
ANTAB2-222	0.2	65	61	44.5	0.04	1	1.6	0.06	0.03	14.02	6.7	4.22	24.2	0.3	1.38	0.03	5.7	0.03	0.55
ANTAB2-223	0.16	90	45	11.9	0.34	3	2.7	2.23	0.06	50.25	27.1	9.77	23.2	0.4	0.63	0.06	21.9	0.1	8.78
ANTAB2-224	0.29	78	45	33.4	<0.02	1	2	0.08	<0.02	46.45	10.3	3.62	20.8	0.2	1.12	<0.02	21.7	0.15	1.58
ANTAB2-225	0.29	77	47	45.9	<0.02	1	2	0.09	<0.02	48.99	10.2	3.59	21.5	0.4	1.35	0.02	22.7	0.15	1.72
ANTAB2-226	0.24	82	42	19.5	<0.02	4	1.9	0.2	<0.02	48.62	8.7	3.62	21.5	0.2	0.8	0.03	17.4	0.1	1.71
ANTAB2-227	0.24	69	54	38.4	<0.02	2	2.5	0.07	0.02	47.87	10	2.84	22	0.3	1.24	0.03	22.5	0.15	1.48
ANTAB2-228	0.21	74	37	36.2	<0.02	3	2	0.06	<0.02	42.2	7.9	2.86	21.1	0.3	1.1	0.02	24	0.14	1.48
ANTAB2-229	0.19	48	41	39.2	<0.02	2	1.8	0.19	<0.02	29.82	5.4	2.63	20.8	0.3	1.3	<0.02	13	0.09	0.6
ANTAB2-231	0.28	76	46	42.6	0.09	2	2	0.21	0.02	50.77	11.2	3.34	21.9	0.2	1.29	0.04	23.9	0.15	27.51
ANTAB2-232	0.27	70	41	23.5	<0.02	2	1.9	0.1	<0.02	46.17	9.5	3.13	20.9	0.3	0.96	0.02	21.3	0.14	1.34
ANTAB2-233	0.27	78	46	37.3	0.29	1	1.7	0.06	0.07	45.6	10.3	4.67	22.2	0.3	1.11	0.07	21.9	0.15	11.92
ANTAB2-234	0.06	51	30	17.7	7.94	17	1.5	3.12	0.02	25.85	19.2	4.57	13.6	0.3	0.45	0.55	11.5	0.05	9.37
ANTAB2-235	0.2	69	28	26.8	0.33	2	1.2	1.84	<0.02	39.95	5.6	2.72	20.4	0.3	0.88	0.07	15.5	0.06	5.7
ANTAB2-236	0.12	57	19	25.8	0.45	2	3	1.66	<0.02	41.98	3.5	2.01	22.8	0.6	0.81	0.08	17.4	0.02	32.18
ANTAB2-237	0.11	62	36	13.6	0.27	13	1.3	7.51	<0.02	19.01	6.3	4.77	19.2	0.5	0.55	0.16	8.4	0.05	3.65
ANTAB2-238	0.06	48	16	13.5	1.28	14	0.8	35.1	<0.02	15.83	7.9	2.58	10.2	0.8	0.41	0.16	7.3	0.01	13.93
ANTAB2-239	0.28	76	45	45.1	<0.02	1	2.1	0.17	0.02	46.81	9.9	2.15	22.5	0.2	1.37	0.02	21.3	0.15	1.53
ANTAB2-240	0.05	40	24	9.4	12	23	1	281.2	0.16	22.62	24.9	5.3	12.3	0.8	0.29	0.67	10.4	0.02	6.4
ANTAB2-242	0.17	69	55	44.1	0.17	3	1.7	0.43	0.02	43.7	9.8	4.99	22.7	0.3	1.22	0.05	21	0.12	1.57
ANTAB2-243	0.05	43	21	7.5	7.27	13	1.2	1444	0.12	18.68	42.4	3.42	12.4	0.3	0.28	0.41	10.8	0.02	2.5
ANTAB2-244	0.2	68	52	41.9	0.18	2	1.9	2.03	0.05	42.97	9.2	2.89	21.7	0.2	1.3	0.03	20.8	0.12	1.38
ANTAB2-245	0.14	61	47	18.7	1.24	6	1.5	1.48	0.02	42.21	13.9	3.5	19.6	0.2	0.66	0.11	19.7	0.11	1.16
ANTAB2-246	0.25	75	61	20	0.03	2	1.9	2.38	0.03	49.26	10	3.34	22.7	0.2	0.9	0.03	23.6	0.15	1.26
ANTAB2-247	0.13	63	58	14.6	0.11	1	1.7	0.36	0.05	37.91	6.7	7.25	21.9	0.3	0.51	0.05	14.2	0.09	0.73
ANTAB2-248	0.26	79	48	31.5	<0.02	1	1.8	0.21	0.06	48.25	9	2.59	21.9	0.2	1.13	0.02	22.6	0.15	1.86
ANTAB2-249	0.06	58	48	18.2	77	53	1.4	2774	0.25	98.19	70.6	6.76	14.1	1.1	0.58	2.33	40.2	0.09	5.44
ANTAB2-251	0.06	59	33	21.2	1.04	40	1.1	59.2	0.02	48.65	17.8	2.63	16.6	0.8	0.67	0.15	21.4	0.04	3.5
ANTAB2-252	0.12	74	37	22.8	0.17	18	1.6	7.76	<0.02	9.76	9.3	5.72	20.3	0.9	0.69	0.19	4.4	0.04	22.66
ANTAB2-253	0.13	47	54	36.6	0.25	4	1.8	5.19	0.42	30.73	5.4	3.9	21.6	0.2	1.3	<0.02	14.2	0.09	0.76
ANTAB2-254	0.07	35	27	6.8	0.16	9	1.8	1.17	0.02	23.9	3.9	5.83	10.5	0.4	0.33	0.05	10.1	0.07	16.82
ANTAB2-255	0.31	81	46	25.8	<0.02	2	1.8	0.36	<0.02	49.58	10.2	2.47	21.5	0.2	1.03	0.02	23	0.15	1.27
ANTAB2-256	0.26	74	52	22.7	<0.02	2	2.2	0.93	<0.02	48.61	10	2.96	20.6	0.2	0.96	0.03	22.1	0.14	1.73
ANTAB2-257	0.26	78	51	28.9	<0.02	1	1.9	10.9	0.07	44.51	9.8	2.37	20.6	0.2	1.13	0.03	22.7	0.15	1.01
ANTAB2-258	0.26	82	58	37.5	0.14	2	1.9	0.34	0.03	41.63	10.2	2.07	21.2	0.4	1.27	0.02	22.5	0.14	1.39
ANTAB2-259	0.26	77	50	33.9	<0.02	2	1.9	0.28	0.12	43.68	10.2	2.5	20.7	0.3	1.27	0.02	22.5	0.15	1.37
ANTAB2-261	0.17	71	41	35.7	0.5	65	1.7	1.29	0.08	25.98	6.6	3.47	19.2	0.4	1.16	0.23	19.2	0.13	2.86
ANTAB2-262	0.05	46	26	11.3	8.65	405	0.9	241.4	0.03	26.81	18.3	2.07	11.3	1.7	0.37	0.39	12.1	0.03	4.2
ANTAB2-263	0.18	78	74	18.5	0.18	11	1.6	2.1	0.1	44.16	12.9	4.01	22.1	0.5	0.72	0.18	22.8	0.13	0.99
ANTAB2-264	0.24	76	43	20.8	0.06	2	2.3	0.74	<0.02	47.31	9.7	1.84	21.3	0.3	0.9	0.03	26.8	0.18	1.24
ANTAB2-265	0.18	45	43	44.5	<0.02	2	1.8	0.23	0.03	25.18	5.4	2.12	21.4	0.5	1.64	0.02	11.4	0.1	0.67

Código	Nb ppm	Ni ppm	Pb ppm	Rb ppm	Sb ppm	Sc ppm	Se ppm	Sn ppm	Ta ppm	Tb ppm	Te ppm	Th ppm	Tl ppm	U ppm	W ppm	Y ppm	Yb ppm
ANTAB2-177	10.5	14.7	14.6	118.3	0.23	5.6	<2	1.2	0.79	0.29	<0.05	9.6	0.54	2.7	10.1	9.7	0.9
ANTAB2-178	2.4	18.8	2.6	54.2	1.55	3.5	<2	0.6	<0.05	0.15	<0.05	4.8	0.26	0.5	3	3.3	0.3
ANTAB2-179	1.8	20.1	123	63.3	3.93	3.8	2	0.8	<0.05	0.11	1	3.1	0.39	4.9	8.1	3	0.4
ANTAB2-181	2.8	13.2	7.7	154.6	2.5	4.9	<2	0.5	<0.05	0.16	<0.05	7.3	0.74	4.3	4.4	4.8	0.5
ANTAB2-182	2.6	11.3	40.2	76.4	3.33	2.8	<2	0.6	<0.05	0.14	0.21	3.4	0.4	0.6	4.8	3	0.3
ANTAB2-183	10	15.7	17.1	110	0.36	6	<2	1.1	0.77	0.32	<0.05	8.4	0.5	2.5	2.5	9.9	1
ANTAB2-184	10.4	16.9	17.8	109.3	0.57	6.7	<2	1.1	1.13	0.36	<0.05	10.1	0.51	2.1	2.5	11.5	1
ANTAB2-185	10.6	14.4	17.4	118.4	0.42	5.6	<2	1.2	1.24	0.31	<0.05	11.5	0.53	2.3	1.2	9.9	0.9
ANTAB2-186	9.6	13	22.7	121.6	0.38	4.3	<2	0.8	0.68	0.25	0.11	11.6	0.57	3.4	1.3	7.9	0.9
ANTAB2-187	3.2	17.4	141.6	87.3	1.14	1.5	11	0.5	<0.05	0.1	1.89	6.1	0.46	12.9	4.1	2.8	0.3
ANTAB2-188	3.2	3.4	10.8	100	1.34	2.4	<2	0.8	<0.05	0.1	<0.05	2.3	0.55	0.9	1.2	2.1	0.2
ANTAB2-189	5.2	13.4	12.2	137.1	0.78	4.1	<2	0.8	0.07	0.21	<0.05	6.3	0.75	1.8	2	5.5	0.5
ANTAB2-191	5.5	14.4	9.2	123.2	0.66	5.6	<2	2.7	<0.05	0.23	<0.05	7.6	0.56	2.5	12.4	7.4	0.7
ANTAB2-192	4.7	14.1	8.9	77.1	0.59	6.5	<2	0.8	<0.05	0.28	<0.05	8.3	0.36	2.5	6.8	7.3	0.8
ANTAB2-193	4.8	15.9	13.1	101	1.72	5.9	<2	0.7	0.4	0.28	0.2	11	0.52	4.4	3.7	7.4	0.8
ANTAB2-194	7.3	14.6	15.5	160.6	0.59	5.1	<2	2	0.47	0.28	0.05	8.2	0.66	2.5	3.7	7.7	0.7
ANTAB2-195	3.4	13	10.6	76.3	0.84	4.9	<2	0.7	<0.05	0.18	<0.05	8.6	0.38	1.8	2.6	3.7	0.4
ANTAB2-196	9.7	16.9	15.1	87.6	0.64	6	<2	2	1.03	0.36	<0.05	9.7	0.38	2.9	0.9	10.5	1
ANTAB2-197	3.9	4.7	20.4	78.5	3.15	5.4	<2	2.2	0.29	0.23	3.88	9.6	0.35	1.1	24.5	5.2	0.6
ANTAB2-198	6.8	3.7	16.3	84.8	0.99	2	<2	1.6	0.64	0.19	<0.05	5.1	0.31	1.7	0.9	4.7	0.4
ANTAB2-199	5	15.3	19.1	129.9	0.77	4.1	<2	1.4	0.19	0.26	0.17	11.6	0.55	2.7	5	7.4	0.7
ANTAB2-200	6.8	14.4	17.3	108.2	1.23	5	<2	0.8	0.55	0.3	<0.05	8.2	0.44	2.9	2	9.9	0.8
ANTAB2-201	11.1	6.3	17.6	87.8	1.76	7	<2	1.3	0.41	0.58	<0.05	4.6	0.35	1.2	0.9	13.8	0.9
ANTAB2-202	7.1	16.6	13.3	96.6	0.95	5.9	<2	1	0.23	0.28	0.06	7.4	0.43	2	3.7	8.2	0.8
ANTAB2-203	2.3	26.9	3.5	14.4	0.73	4.5	<2	0.4	0.73	0.37	<0.05	10	0.15	4.3	10.3	11.2	0.9
ANTAB2-204	9.9	13.6	13.2	95.2	0.47	5.7	<2	1.1	0.76	0.33	<0.05	16.7	0.41	4.2	39.2	10.3	0.9
ANTAB2-205	9	17	21.5	100	0.59	6.1	<2	1	4.88	0.34	<0.05	8.4	0.46	3.1	9.5	9.6	0.9
ANTAB2-206	7.8	17.9	22.6	110.9	0.86	5.9	<2	8.9	0.58	0.39	0.08	9.1	0.48	3.3	42.8	11	1
ANTAB2-207	1.6	18.1	131.1	48.5	3.68	1.3	2	0.4	0.05	0.08	0.2	1.3	0.24	3.3	17.7	2.4	0.3
ANTAB2-208	2.3	7.2	37.5	91.5	0.79	4	<2	0.6	0.05	0.15	<0.05	3.3	0.43	1.1	0.7	3.9	0.3
ANTAB2-209	3.9	13.2	5.7	35.4	1.08	3.2	<2	0.8	<0.05	0.14	0.22	4.5	0.16	2.3	17.2	3.1	0.3
ANTAB2-211	3	13.6	6.9	237.7	2.41	6	<2	1.2	<0.05	0.28	<0.05	6.8	1.43	1.8	8.1	6.7	0.6
ANTAB2-212	5.7	12.7	14.3	119.2	0.81	4.3	<2	0.9	0.11	0.25	<0.05	5.8	0.59	2.1	50.6	6.3	0.6
ANTAB2-213	4.8	12.6	11.9	200.1	1.76	4.2	<2	0.9	<0.05	0.21	<0.05	8.6	0.95	2.8	18.9	4.9	0.4
ANTAB2-214	2.7	16.1	4.7	27.1	1.43	3.2	<2	0.5	2.77	0.12	<0.05	6.4	0.13	1.5	11.1	2.4	0.2
ANTAB2-215	5.2	14.1	22.1	223.1	2.91	6.5	<2	1	0.18	0.25	<0.05	7.6	1.16	2.5	16	6.1	0.8
ANTAB2-216	5.1	12.1	13.2	126	1.54	4.3	<2	0.6	0.11	0.24	<0.05	18	0.57	3.7	1.8	6.6	0.7
ANTAB2-217	3.1	13	263.4	155.5	4.58	4.4	3	1.1	0.42	0.19	<0.05	7.3	0.68	2.5	62.4	4.3	0.5
ANTAB2-218	6.5	17.8	18.9	81.1	1.46	6.7	<2	0.8	0.2	0.29	<0.05	6.3	0.48	1.9	4.6	7.7	0.7
ANTAB2-219	9.8	17	16.9	114.3	0.46	5.8	<2	1.2	0.62	0.33	<0.05	11.1	0.58	2.9	8	10	0.9
ANTAB2-221	6.1	16.3	18.9	131.6	1.31	5.7	<2	0.9	0.87	0.31	<0.05	7.2	0.67	6.9	55.3	7.6	0.9
ANTAB2-222	4.1	7	11.2	88.8	1.72	2.6	<2	0.9	0.31	0.09	<0.05	1.7	0.54	0.7	1.9	1.8	0.2
ANTAB2-223	4.8	14.5	21.7	214.7	3.08	6.8	<2	0.9	0.22	0.27	<0.05	8.7	1.11	5.2	28.6	6.5	0.7
ANTAB2-224	10.1	16.6	17.2	107.7	0.36	6.1	<2	1.5	1.2	0.36	<0.05	10.2	0.51	2.6	0.7	10.3	0.9
ANTAB2-225	11.1	16.9	16.7	108.7	0.28	5.9	<2	1.4	1.4	0.34	<0.05	9.3	0.49	2	0.7	10.3	1
ANTAB2-226	9	15.1	18.5	98.8	0.94	6.4	<2	0.9	0.93	0.2	<0.05	10.4	0.44	3.3	2.8	5.2	0.6
ANTAB2-227	8.3	18.3	20.7	91.5	0.42	6	<2	0.9	0.91	0.37	<0.05	9.3	0.39	1.9	0.4	10.1	0.9
ANTAB2-228	9.1	13.9	18.4	107.9	0.91	5.2	<2	2.1	1.19	0.27	<0.05	19.7	0.42	3.6	0.8	8.1	0.8
ANTAB2-229	5.7	8.2	16	77.1	0.32	3.3	<2	1	<0.05	0.2	<0.05	4	0.29	1.4	0.6	6.2	0.5
ANTAB2-231	10.7	17.6	18.7	117	0.35	5.9	<2	2.9	0.92	0.36	0.06	9.9	0.49	2.7	6.5	10.6	1
ANTAB2-232	10.2	16.3	17.5	111.5	0.26	5.5	<2	1.5	1.25	0.32	<0.05	8.5	0.48	3.3	0.7	10.1	0.9
ANTAB2-233	9.2	16.1	16.3	127.2	0.55	6.3	<2	1.3	0.74	0.37	<0.05	9.8	0.62	2.2	157.7	10.5	1
ANTAB2-234	2.6	16.6	55.6	139.7	8.69	3	<2	0.6	<0.05	0.13	<0.05	4.5	0.57	15	4.5	3.9	0.3
ANTAB2-235	6.3	8.8	13.7	106.5	1.85	5.8	<2	1.1	0.24	0.18	<0.05	8.2	0.46	2	15.6	3.9	0.4
ANTAB2-236	3.5	2.9	10.9	78.4	1.4	4.2	<2	1.3	0.48	0.12	0.09	5	0.4	0.9	3.1	1.8	0.2
ANTAB2-237	3.9	8.4	11.5	141.3	1.67	5	<2	0.9	<0.05	0.13	<0.05	6.2	0.61	1.2	3.6	3	0.3
ANTAB2-238	2.1	7.7	13.6	110.1	2.75	2.9	<2	0.5	<0.05	<0.05	0.22	1.6	0.47	0.5	2.6	0.8	0.1
ANTAB2-239	9.8	16.2	17.5	116.6	0.32	5.9	<2	1.1	1.37	0.33	<0.05	8.9	0.44	2.7	0.3	10.2	0.9
ANTAB2-240	2.6	17.3	25.1	90.3	4.65	3	<2	0.9	<0.05	0.07	<0.05	5.1	0.42	1.2	1.4	1.3	0.1
ANTAB2-242	6.3	16.7	17.3	131.6	1.31	5.4	<2	1	0.24	0.28	<0.05	10	0.52	1.5	2.4	8.3	0.8
ANTAB2-243	2.5	24.6	56	106.5	5.06	3.2	<2	0.8	<0.05	0.11	0.26	4	0.5	0.8	3.4	1.7	0.2
ANTAB2-244	7.5	15.6	21.6	111.8	0.86	5.3	<2	1.4	0.63	0.29	<0.05	10.3	0.44	1.8	2.2	8.6	0.8
ANTAB2-245	5.2	17	12.2	113.2	1.72	4.7	<2	0.8	<0.05	0.26	<0.05	7.9	0.46	1.1	5.8	7.9	0.7
ANTAB2-246	8.8	16.7	22.3	116.1	0.99	5.9	<2	1.2	1.11	0.33	<0.05	10.8	0.47	1.9	1.7	10.6	0.9
ANTAB2-247	4	12.7	11.7	133.5	6.91	6.4	<2	0.7	0.87	0.2	<0.05	8.6	0.72	1.5	6.2	4.1	0.5
ANTAB2-248	9.6	18.3	16.2	83.7	0.86	6.2	<2	0.9	0.88	0.34	<0.05	14.4	0.34	3.6	1.1	10.2	1
ANTAB2-249	2.1	36.3	604.4	106.4	5.31	4.5	9	0.9	0.07	0.27	1.23	8.1	0.47	6.5	2	5.6	0.5
ANTAB2-251	2	10.1	41.6	117.8	1.35	4	<2	1.4	<0.05	0.13	0.22	6.7	0.54	0.9	2.5	2.8	0.3
ANTAB2-252	4.2	9.4	9.5	172.9	2.37	4.6	<2	0.8	0.4	0.09	0.06	7.1	0.71	1.2	4.3	2.2	0.3
ANTAB2-253	3.4	7.6	26.9	91.8	0.84	3.4	<2	0.7	<0.05	0.21	<0.05	3.9	0.4	1.1	0.8	6.6	0.5
ANTAB2-254	2.3	9.9	11.6	65.9	34.6	3.9	<2	0.8	<0.05	0.15	<0.05	4.3	0.72	1.2	2.3	5.4	0.4
ANTAB2-255	10.5	17.5	16.3	95.3	0.48	6.6	<2	2.5	0.92	0.37	<0.05	9.3	0.4	1.9	0.3	11	1
ANTAB2-256	9.8	16.3	19.9	98	0.75	5.7	<2	1.2	0.77	0.34	<0.05	8.9	0.45	2.3	1.1	10.4	0.9
ANTAB2-257	8.2	14.7	20.7	105.9	0.78	6.1	<2	0.9	0.92	0.37	<0.05	9.3	0.48	1.9	1.7	10.7	1
ANTAB2-258	7.2	18.6	19.4	103.1	1.11	6.5	<2	1.2	4.73	0.37	<0.05	10.2	0.44	1.9	1.7	10.9	0.9
ANTAB2-259	8.9	16.9	20.8	111.8	0.96	6	<2	1.2	1.05	0.39	<0.05	13.1	0.49	2.6	0.8	11.5	1
ANTAB2-261	5.4	10.3	21.4	112.7	1.31	4.8	<2	1	1.06	0.29	<0.05	9.6	0.56	3.7	1.5	9.1	0.8
ANTAB2-262	1.9	9	36.7	80.9	2.1	2.9	<2	0.8	0.08	0.08	0.11	3.2	0.36	1.3	1.4	1.9	0.2
ANTAB2-263	5	14.7	10.8	215.4	0.97	6.3	<2	1.4	1.13	0.3	<0.05	8.8	0.88	1.3	4	8.4	0.8
ANTAB2-264	8.2	17.3	16.5	90.7	0.67	6	<2	1.2	1.13	0.38	<0.05	9.9	0.41	2.1	1	12.1	1.1
ANTAB2-265	6.3	5.2	15.6	90.2	0.46	2.9	<2	0.9	0.96	0.23	<0.05	4	0.4	1.1	1	6.4	0.6

Código	Au	Al	Ba	Ca	Cr	Cu	Fe	K	Li	Mg	Mn	Na	P	S	Sr	Ti	V	Zn	Zr	Ag	As	Be	Bi	Cd	Ce	Co	Cs	Ga	Ge	Hf	In	La	Lu	Mo	Nb	Ni	Pb	Rb	Sb	Sc	Se	Sn	Ta	Tb	Te	Th	Tl	U	W	Y	Yb
	ppb	%	ppm	%	ppm	ppm	%	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-266	226	1.34	248	0.02	743	69.7	6.72	0.67	11	0.08	76	0.1	72	3.48	7.1	0.02	19	9	5.2	1.53	43	0.3	87.3	<0.02	2.63	13.6	0.96	4.4	1.1	0.15	0.16	1.6	<0.01	2.02	2.2	12.4	17.5	46.1	1.66	1.2	<2	0.6	<0.05	<0.05	0.15	0.4	0.2	0.1	0.8	0.2	<0.1
ANTAB2-267	<5	8.55	1096	2.43	185	9.8	2.62	2.83	9	0.93	598	2.91	658	<0.01	803.7	0.29	80	61	43.8	0.04	1	1.7	0.5	0.04	46.38	10.6	3.3	20.9	0.3	1.44	0.02	23.1	0.17	1.78	10.3	16.5	18.6	110	0.23	5.9	<2	1.3	1.1	0.38	<0.05	13.2	0.5	3.2	0.8	11	1.1
ANTAB2-268	<5	8.6	1186	1.76	265	67.4	2.12	2.65	8	0.72	404	2.94	654	<0.01	877.2	0.23	62	48	24.4	<0.02	2	2.1	0.63	<0.02	37.08	7.9	2.34	22.5	0.5	1.13	0.02	18.6	0.12	1.21	8	15.1	19.4	102.9	0.38	4.6	<2	2.9	0.85	0.3	<0.05	7.1	0.36	1.8	0.9	8.7	0.8
ANTAB2-269	279	4.24	200	0.02	208	63.4	12.84	2.13	7	0.23	106	0.35	944	0.32	9.7	0.07	92	35	37.1	0.91	56	1	8.74	0.02	29.28	5.6	3.36	15.6	1.3	1.01	0.17	14.1	0.03	3.37	2.1	5.6	18.7	140	3.03	3.5	<2	0.8	<0.05	0.09	0.1	5	0.58	0.8	14.1	1.8	0.2
ANTAB2-271	9	9.02	816	0.72	245	29.3	3.16	2.62	7	0.79	972	2.57	435	0.01	462.6	0.22	82	67	40.8	<0.02	3	2.1	0.31	0.08	43.46	12.7	3.39	24	0.3	1.33	0.05	24.6	0.13	1.37	7.2	21.7	23	108.5	1.03	7.5	<2	1	0.74	0.33	<0.05	10.7	0.52	1.7	2.6	9.1	0.9
ANTAB2-272	252	7.16	337	0.18	44	1451	4.09	2.02	24	0.51	876	2.16	524	0.01	113.5	0.1	68	125	42.7	4.66	15	1.9	7.45	0.44	26.6	34.8	9.58	19.8	0.1	1.4	0.11	13.3	0.08	49.9	2.8	13.7	132.9	134.8	11.6	4.7	<2	1	0.08	0.18	0.08	6.4	0.67	3.1	2.8	5.3	0.4
ANTAB2-273	<5	8.03	974	2.03	39	32.2	2.59	2.92	11	1.03	731	2.9	654	<0.01	609.7	0.24	67	80	28.9	0.35	6	1.7	0.3	0.07	43.47	8.8	3.05	17.8	0.3	1.19	0.03	25.6	0.14	5.81	7.1	12.2	38.7	116.6	1.23	5.7	<2	1	0.92	0.34	<0.05	10.9	0.46	3.4	4.3	10.8	0.8
ANTAB2-274	<5	8.46	1337	0.7	8	5	1.43	3.27	8	0.41	1145	2.1	462	0.02	116.1	0.1	43	68	55.5	0.19	2	1.7	0.12	0.34	26.12	3.5	4.88	21.5	0.2	2.34	0.03	17.6	0.09	1.26	2.3	3.4	16.3	193.8	1.45	2.9	<2	1.3	0.99	0.31	<0.05	3.8	0.83	1.5	1.5	9.6	0.5
ANTAB2-275	152	4.64	198	0.04	47	652	4.27	2.2	34	0.22	578	0.07	382	0.02	8.6	0.05	50	153	10	21	19	1.7	53.9	0.1	34.8	13.9	6.39	17.2	0.6	0.38	0.39	19.2	0.04	32.76	0.9	10.2	143.9	119.9	41.8	3.4	<2	0.9	3.09	0.14	<0.05	4.2	0.64	2.3	12.8	2.5	0.2
ANTAB2-276	<5	7.79	893	0.81	34	69.7	2.47	3.72	22	0.58	469	2.07	681	<0.01	342.6	0.14	67	230	20.9	0.24	6	1.5	0.63	1.31	44.86	8.1	6.5	17.2	0.2	0.83	0.02	25	0.13	3.21	3.5	12.4	173.3	165.7	9.77	5.7	<2	0.6	0.07	0.33	<0.05	8.4	0.73	2.1	3.2	9.1	0.7
ANTAB2-277	334	4.15	1572	0.04	37	1025	3.79	2.04	32	0.2	288	0.11	410	0.13	8.3	0.05	41	61	13.8	7.44	18	1.1	5.24	0.1	22.57	10.1	5.7	12.5	0.2	0.48	0.46	12.1	0.03	16.45	1	9.5	29.1	110.9	36.3	3	<2	0.7	<0.05	0.09	<0.05	4.5	0.52	1.7	10.1	2	0.2
ANTAB2-278	<5	7.51	841	0.53	31	31.9	1.34	3.67	7	0.28	266	2.81	303	<0.01	391.3	0.09	28	25	51.1	0.24	1	1.9	0.23	<0.02	19.03	2.5	4.38	18.4	0.5	2.08	<0.02	13.6	0.06	5.12	3.7	4.7	26.3	161.7	0.92	1.8	<2	0.6	0.19	0.13	<0.05	16.6	0.6	4	1.7	3.9	0.4
ANTAB2-279	<5	8.39	1033	2.64	37	430.3	2.71	2.9	8	1.04	439	3.21	713	0.02	733.3	0.32	77	29	38.1	0.06	2	2.2	0.18	0.04	46.51	9	3.58	20.1	0.6	1.64	0.03	26.6	0.16	5.43	10.1	13.6	17.9	110.4	0.51	6.6	<2	1.5	0.83	0.4	<0.05	12.4	0.44	3.2	24.4	11.9	1
ANTAB2-281	<5	8.64	984	2.65	47	360.6	2.6	3.01	9	1.1	444	3.21	661	0.01	704.9	0.32	72	28	48.1	0.28	1	1.9	0.09	<0.02	48.85	8.6	3.1	20.6	0.4	2.09	0.03	27.5	0.16	49.01	10.3	14.9	41.5	115.1	0.38	6.4	<2	1.4	0.58	0.37	<0.05	14.1	0.51	4.4	2.5	10.9	1
ANTAB2-282	<5	8.2	857	2.22	34	2190	2.71	2.65	11	1.01	395	3.2	626	0.07	709.6	0.3	74	33	59.7	0.62	1	2.5	0.09	0.08	45.59	7.5	3.24	21.1	0.8	2.34	0.06	25.7	0.15	7.55	10.2	13.1	20	124.2	0.59	6	<2	1.4	0.52	0.36	<0.05	11.9	0.55	5.8	59.9	11.4	0.9
ANTAB2-283	<5	8.41	926	2.47	41	154.6	2.61	3.1	9	0.98	471	3.1	655	0.03	677.8	0.29	72	32	51.4	0.15	1	1.6	0.06	<0.02	45.6	9	3.61	19.2	0.2	1.88	0.02	24.7	0.15	8.4	9.3	13.8	19.8	113.2	0.49	6.3	<2	1.8	0.54	0.36	<0.05	9.5	0.51	2.9	7.8	10.6	0.9
ANTAB2-284	<5	7.92	900	2.52	39	501.5	2.35	2.79	8	0.89	406	2.97	718	0.04	662.7	0.27	74	28	30	0.22	1	1.8	0.05	<0.02	44.16	7.4	3.63	19.2	0.5	1.26	0.03	25.6	0.15	4.59	7.9	13	20.8	106.5	0.72	6.4	<2	1.2	0.48	0.36	<0.05	8.7	0.47	3.1	10.6	10.6	0.9
ANTAB2-285	<5	7.97	1651	1.79	33	1802	2.48	2.69	11	1.01	504	3.13	738	0.14	520.5	0.18	73	53	49.3	1.08	1	1.7	0.2	0.04	45.15	8.7	4.37	19.5	0.2	1.67	0.06	27	0.14	10.39	4.9	13.4	11.1	116.9	1.33	5.7	<2	0.9	1.57	0.34	<0.05	13.8	0.56	3.3	52.3	10.4	0.8
ANTAB2-286	<5	8.48	985	2.5	46	1414	2.81	2.84	9	1.17	430	3.16	774	0.06	800.1	0.36	78	30	32.2	0.47	1	1.9	0.07	<0.02	48.86	11	6.94	21.5	0.2	1.41	0.06	26.3	0.17	32.22	9.1	18.9	16	134.2	0.2	7.2	<2	1.1	0.48	0.46	<0.05	10.2	0.68	3.2	60.5	12.7	1
ANTAB2-287	11	8.76	2247	2.54	37	2102	2.85	2.53	13	1.19	501	3.29	965	0.14	1004	0.32	92	38	47.7	0.37	1	2.1	0.24	0.04	54.38	12.3	3.92	21.7	0.2	1.86	0.07	31.5	0.16	7.72	7.1	18.7	22	96.2	1.13	7.6	<2	1.4	2.09	0.45	<0.05	8.4	0.48	3.6	9.9	13.5	1
ANTAB2-288	<5	8.25	1082	2.03	43	2147	2.53	2.08	10	1.05	350	3.16	719	0.29	776.2	0.27	72	36	44.6	0.73	1	1.9	0.69	0.09	38.02	17.3	3.87	20.3	0.4	1.58	0.07	25.8	0.13	6.3	6.2	18.6	14	96.8	0.86	6.4	<2	1.1	0.41	0.34	<0.05	9.3	0.48	3	36.1	10.9	0.7
ANTAB2-290	<5	8.37	1060	2.22	47	1332	2.5	1.68	12	1.01	424	3.56	690	0.05	860	0.28	74	39	54	0.6	1	2	0.11	0.13	40.42	8.6	2.33	21.1	0.5	1.86	0.08	22.8	0.14	5.35	7.4	20.3	17.5	64.5	1.32	6.5	<2	1.2	1.68	0.35	<0.05	10.4	0.34	3.6	25.1	11.2	0.8
ANTAB2-291	<5	8.68	1075	2.77	48	256.5	2.89	2.68	7	1.17	483	3.38	702	<0.01	883.9	0.33	76	28	59.6	0.17	1	1.7	0.04	0.03	45.03	10.9	2.58	20.9	0.2	2.23	0.02	25.1	0.15	4.12	7.9	18.4	17.2	100.1	0.14	6.9	<2	1	0.42	0.38	<0.05	7	0.42	2	1.5	11.9	0.9
ANTAB2-292	<5	8.26	895	2.51	36	18	2.38	2.48	7	1.04	444	3.28	684	<0.01	713.6	0.3	68	28	32.3	0.04	1	1.9	0.05	0.02	44.55	7.8	1.75	20	0.3	1.6	0.02	24.9	0.14	4.51	9	13.7	17.8	93.9	0.35	6.2	<2	0.9	0.85	0.36	<0.05	10.4	0.36	3.1	0.8	10.8	0.9
ANTAB2-293	<5	7.86	938	2.04	34	367.7	2.24	2.72	6	0.83	339	2.93	656	0.01	701.6	0.28	67	26	45.5	0.09	<1	2	0.09	0.03	36.9	7.8	3.23	18.7	0.2	1.64	0.02	21.7	0.13	5.59	8	12.6	15.9	112	0.36	5.7	<2	0.8	0.83	0.3	<0.05	8.6	0.45	2.8	7.7	9.5	0.7
ANTAB2-294	<5	7.9	1284	2.4	43	1167	2.51	2.51	7	0.94	448	3.05	640	0.08	745.2	0.28	68	27	28.7	0.41	1	1.8	0.06	<0.02	44.96	8.9	4.95	20.2	0.4	1.15	0.06	25.2	0.15	15.39	8.8	15.2	18	117.4	0.45	5.9	<2	0.9	0.64	0.35	<0.05	13.1	0.54	3.1	59.6	10.9	0.8
ANTAB2-295	<5	7.83	975	2.02	36	997.4	2.61	2.71	11	0.94	590	2.79	708	0.05	588.4	0.23	70	39	57.7	0.58	1	2.1	0.1	<0.02	41.02	9.6	4.89	21.4	0.5	1.87	0.07	23.4	0.14	46.63	6.3	16.3	16.7	127.1	1.5	6	<2	0.9	1.12	0.34	<0.05	8.6	0.58	2.7	13.6	10.7	0.8
ANTAB2-296	85	7.83	1035	0.83	20	208.5	1.77	2.74	21	0.53	353	2.53	539	<0.01	413	0.11	45	47	55.9	0.18	1	1.6	1.01	0.05	28.53	5.6	5.36	20.8	0.4	2.17	0.03	15.4	0.08	3.56	2.2	6.8	38.5	112.7	4	3.2	<2	0.8	0.22	0.23	<0.05	4.4	0.54	1.4	1.3	6.5	0.5
ANTAB2-297	<5	8.16	859	2.46	42	949	2.48	2.25	9	0.93	440	3.29	643	0.05	736.5	0.29	70	28	35.4	0.31	1	1.8	0.5	0.05	43.8	8.7	2.69	19.9	0.3	1.43	0.04	24.4	0.14	6.83	9.1	14.2	16.9	87.9	0.54	6.1	<2	1.1	0.81	0.34	<0.05	8.6	0.39	3	23.5	11	0.9
ANTAB2-298	<5	7.74	915	1.99	33	1009	2.39	2.79	8	0.84	422	2.9	548	0.06	644.1	0.25	58	29	46.3	0.36	1	2	0.11	0.02	38.48	8	2.75	19.1	0.2	1.67	0.06	21.6	0.13	5.79	9.2	12.5	17.3	119.2	0.42	5.1	<2	1.2	1.04	0.33	<0.05	10.2	0.51	3.2	1.3	9.6	0.8
ANTAB2-299	<5	7.9	963	2.18	37	535.3	2.6	3.2	10	0.9	411	2.92	581	0.03	674.1	0.26	64	25	54.4	0.1	1	1.8	0.08	<0.02	38.47	8.3	3.9	19.1	0.3	1.85	0.02	22.8	0.12	10.87	8.3	12.9	16.7	131.5	0.4	5.6	<2	1.2	1.07	0.27	<0.05	12.6	0.53	3.3	28.5	8.6	0.7
ANTAB2-300	<5	7.61	848	2.41	42	176.1	2.33	2.44	6	0.92	481	2.85	595	<0.01	676.7	0.28	66	30	39.3	0.31	1	2	0.1	0.04	41.35	8.1	2.83	18.8	0.4	1.64	0.02	24.2	0.14	5.05	8.7	14	19.2	102.6	0.64	5.8	<2	1.1	0.92	0.33	<0.05	14	0.44	4	1.8	10.5	0.8
ANTAB2-302	<5	7.85	975	2.26	33	13.5	2.38	2.49	7	0.97	531	2.91	662	<0.01	733.9	0.27	71	34	47.2	0.1	<1	2.1	0.06	<0.02	46.08	9	2.19	19.6	0.4	1.85	0.02	25.6	0.16	4.22	9.3	13.7	20	96.6	0.59	6.2	<2	1	1.94	0.38	<0.05	9.1	0.42	2.9	0.8	11.8	0.9
ANTAB2-303	<5	7.42	348	2.58	36	14.5	1.6	0.98	9	0.79	618	3.47	565	<0.01	575	0.22	66	36	41.2	0.06	<1	2.2	0.14	0.04	45.3	5.1	3.69	19.9	0.2	1.49	0.13	28.6	0.13	4.53	6.5	12.6	13.2	46	1.83	5.1	<2	1.2	0.46	0.32	<0.05	8.6	0.25	3.7	1.3	10.3	0.8
ANTAB2-304	<5	7.56	922	2.13	35	9.9	2.38	2.59	8	0.91	591	2.78	622	<0.01	647.3	0.24	65	34	27.2	0.03	<1	1.7	0.06	<0.02	43.56	7.5	2.6	18.9	0.1	1.23	0.02	24.2	0.15	3.61	7.6	12.7	25.5	95.3	0.8	6.1	<2	0.7	0.79	0.35	<0.05	11.7	0.39	3.1	1.1	10.1	0.9
ANTAB2-305	<5	7.9	874	2.28	37	10.2	2.49	2.51	9	1.02	539	3.01	627	<0.01	773.4	0.27	73	32	43.1	0.04	1	2.2	0.04	0.03	38.62	10.6	2.13	20.4	0.6	1.7	<0.02	22.9	0.12	4.97	7.5	15.3	17.4	95.2	0.34	6.5	<2	1.1	0.53	0.3	<0.05	10.8	0.41	3.2	0.4	9.4	0.7
ANTAB2-306	<5	8.26	936	2.57	39	20.4	2.57	2.57	10	1.14	595	3.06	694	<0.01	793.3	0.3	75	32	21.5	<0.02	<1	1.9	0.06	0.03	36.93	11	2.62	21.4	0.1	1.1	0.03	23	0.13	3.72	7.7	16.1	15.2	105.3	0.18	6.8	<2	1	0.31	0.3	<0.05	10.1	0.45	3.1	0.4	9.7	0.7
ANTAB2-307	<5	5.83	1191	0.18	35	4.9	1.61	2.89	13	0.37	911	1.99	362	<0.01	187.5	0.03	28	75	31.8	0.16	1	1.6	0.16	0.52	27.54	5	5.34	13.9	0.1	1.09	<0.02	17.2	0.13	5.51	1.3	10.2	8.5	133.8	1.12	2	<2	0.5	0.28	0.25	<0.05	9.3	0.62	2.2	2.6	8.5	0.7
ANTAB2-308	21	3.89	635	0.05	29	239.5	2.46	2.4	37	0.18	147	0.19	286	<0.01	50	0.03	18	243	21.8	3.52	24	0.7	2.03	0.96	8.49	6.6	3.82	8.1	0.1	0.74	<0.02	5	0.02	12.4	1	8	250.5	123.7	80.4	1.5	<2	0.4	0.48	<0.05	0.06	5.7	0.65	3.1	4.4	1	0.1
ANTAB2-309	12	2.74	205	0.02	42	55	4.55	1.29	68	0.13	72	0.15	141	0.02	15.4	0.04	36	93	13.3	1.07	23	0.6	0.66	0.05	3.98	0.8	4.58	8.3	0.4	0.47	<0.02	2.3	0.01	35	1.2	5.2	72.2	83	36.3	2.3	<2	0.3	0.78	<0.05	0.15	4.8	0.4	0.5	3.3	0.6	0.1
ANTAB2-310	<5	8.4	935	0.75	21	8.5	1.81	2.5	9	0.47	495	3.36	418	<0.01	453.2	0.14	37	29	69.3	0.18	<1	2.1	0.11	<0.02	24.18	4.8	2.3	20.7	0.3	2.63	0.02	12.8	0.12	3.59	3.9	5.7	12.6	128.2	1.21	3	<2	1.1	0.72	0.25	<0.05	6.1	0.4	2	1.4	8.3	0.7
ANTAB2-312	<5	5.83	593	0.17	17	2978	2.01	2.46	14	0.47	274	1.65	488	0.06	113.4	0.12	44	80	36.8	3.13	<1	1.1	1.69	0.45	24	4.3	3.26	16.2	0.1	1.58	0.33	12.3	0.08	1.98	2.3	6.6	45.3	135.4	1.81	3.3	<2	0.6	0.95	0.22	<0.05	3.3	0.64	1.6	3.9	6.2	0.4
ANTAB2-313	42	6.18	361	0.2	47	92.4	2.69	2.09	36	0.59	356	1.66	387	<0.01	133.1	0.11	58	40	32	0.12	5	1.8	0.97	0.06	33.26	14.9	3.93	17	0.3	1.11	0.09	19.9	0.07	5.43	2.6	12.8	30	131.5	4.39	4.3	<2	0.6	0.34	0.16	0.05	9	0.58	2.2	7.5	4.6	0.4
ANTAB2-314	46	2.76	105	0.02	23	119.3	22.56	0.97	16	0.17	148	0.38	841	1.25	14.2	0.03	87	26	18.4	3.83	96	0.7	23.6	0.02	8.5	110.1	4.18	16.4	0.4	0.66	0.44	4.6	0.03	10.23	0.6	10.6	63.6	79.1	4.29	1.7	2	32.4	0.39	0.07	3.69	3.2	0.32	4.6	3.8	2	0.2
ANTAB2-315	<5	7.42	762	0.14	42	33.2	3.24	3.31	18	1.21	1053	1.62	495	<0.01	127.6	0.12	70	62	23.2	0.06	2	1.4	0.78	0.06	36.56	8.7	2.51	20.5	0.1	0.9	0.15	20.6	0.11	4.17	2.7	15.1	7.1	193.1	1.06	5.8	<2	1.1	0.61	0.24	<0.05	10.4	0.65	2.4	3.8	6.9	0.6
ANTAB2-316	<5	7.3	537	0.25	40	10.1	2.82	1.98	14	0.93	596	3.24	638	<0.01	308	0.09	58	58	22.8	0.12	2	1.8	0.53	<0.02	37.5	8.3	2	18.4	0.4	0.81	0.04	22.1	0.11	3.58	2.2	13.1	11.4	101.5	0.66	4.9	<2	0.6	0.65	0.26	<0.05	7.5	0.42	2.4	1.6	7.6	0.7
ANTAB2-317	<5	7.51	809	0.77	33	29.4	2.56	2.65	14	0.93	575	2.78	631	<0.01	483.5	0.15	61	65	24.5	0.14	1	1.8	0.19	0.03	38.99	8.4	2.18	18.6	0.6	0.98	0.03	21.8	0.12	3.28	4.7	12.8	22.9	107.4	1.17	5	<2	0.6	0.32	0.26	<0.05	10.3	0.45	2.5	2.4	8.5	0.7
ANTAB2-318	16	5.01	207	0.03	44	23.7	4.56	2.64	15	0.55	207	0.24	390	0.21	7.5	0.07	83	32	24.8	0.67	10	1.4	2.21	0.03	23.29	10.6	3.36	19.3	0.5	0.89	0.1	12.2	0.02	7.26	1.3	7.8	27.1	184.4	2.58	4.8	<2	1.2	0.58	0.07	0.06	5.7	0.66	0.7	2.6	1.3	0.1
ANTAB2-319	<5	7.37	334	0.05	17	70.6	2.31	2.4	21	0.35	188	1.11	437	<0.01	62	0.07	50	394	35.9	1.26	5	1.4	0.45	0.75	15.56	2.3	4.79	20.3	0.6	1.64	0.04	9.2	0.04	3.42	1.7	4	892.3	168.7	9.36	2.9	<2	0.7	0.67	0.08	0.07	3.5	0.71	2	7.2	2.4	0.2
ANTAB2-321	40	1.29	1287	0.03	30	221.4	2.23	0.55	36	0.06	113	0.07	120	0.08	14.9	0.02	7	140	3.1	53	98	0.4	40.4	0.26	2.59	0.9	1.54	2.5	0.1	0.14	<0.02	1.4	0.01	18.63	0.6	3.4	1017	30	163.3	0.6	<2	0.3	1.85	<0.05	0.53	1.6	0.16	0.9	34	0.5	<0.1
ANTAB2-322	<5	7.64	982	1.64	37	13.4	2.56	2.93	11	0.89	526	2.73	684	0.11	590.2	0.19	66	38	29.4	0.23	2	2	0.39	<0.02	41.69	13.1	3.25	20.8	0.2	1.12	0.03	25	0.13	4.03	5.2	13.9	24.7	117.7	1.75	5.9	<2	0.7	1.54	0.32	0.05	14.3	0.5	3.3	2.5	9.7	0.7
ANTAB2-323	<5	6.54	1500	0.54	35	49.8	2.23	3.28	12	0.47	572	2.4	584	0.08	315	0.08	53	97	36.8	0.71	4	1.1	0.68	0.45	35.35	7.4	4.32	16.3	0.6	1.31	0.02	19.2	0.11	4.8	1.8	12.2	35.5	148.7	6.01	4.7	<2	0.7	1.04	0.26	<0.05	13.7	0.77	3	4.3	7	0.6
ANTAB2-324	7	7.69	610	0.27	11	390.5	2.2	2.45	10	0.33	228	2.45	465	0.05	244.4	0.1	44	48	61.4	3.16	4	1.6	3.43	0.39	19.29	8.4	3.77	20.8	0.4	2.3	0.09	9.7	0.06	3.34	2.8	3.2	113.9	140	4.43	2.8	<2	1.1	2.2	0.12	0.08	3.8	0.67	2.5	3.4	3.5	0.3
ANTAB2-325	59	4.67	425	0.03	36	142.9	5.44	2.23	33	0.25	87	0.65	283	0.12	48.5	0.09	89	119	20.3	8.63	40	1.1	1.59	0.31	21.44	1.2	5.06	17.2	0.4	0.72	0.05	11.8	0.03	138.01	2.1	5	1217	152.3	50.3	6	<2	0.9	0.43	0.07	0.29	3.4	0.76	1.4	4.1	1.5	0.1
ANTAB2-326	214	1.85	134	0.02	46	54	6.65	0.77	86	0.1	185	0.14	170	0.07	14	0.02	33	320	17.6	7.55	28	0.7	3.48	0.41	11.48	1.8	8.74	6.7	0.8	0.54	0.09	8.3	0.02	45.72	0.7	5.9	779.6	55.4	66.7	1.5	<2	0.4	0.46	<0.05	0.24	2.1	0.26	0.4	1.9	1	0.1
ANTAB2-327	<5	7.99	462	0.67	10	26.7	1.01	1.95	8	0.31	483	3.19	485	0.01	296.6	0.09	42	39	53.2	0.18	<1	1.5	0.09	0.26	24.34	2.9	3.47	22	0.5	2.28	0.02	13.3	0.08	2.69	2.2	3.4	12.3	124.4	2.15	2.6	<2	1.4	0.14	0.25	<0.05	4	0.57	1.7	2.9	6.9	0.5
ANTAB2-328	<5	7.61	1043	0.38	46	826.3	2.63	3.24	12	0.65	592	2.78	674	0.03	326.5	0.11	64	712	36.6	2.07	2	1.7	2.49	8.98	40.76	7.7	5.25	18.4	0.6	1.29	0.04	21.9	0.11	5.59	2.7	14.9	89.5	155	2.51	5.2	<2	0.7	3.76	0.25	<0.05	12.3	0.73	2.7	4.7	7.4	0.6
ANTAB2-329	<5	7.27	1004	1.56	36	7.4	2.49	2.79	11	0.96	618	2.76	654	<0.01	522	0.15	68	51	26.6	0.12	1	1.8	0.1	<0.02	37.91	9.7	3.39	19.7	0.6	0.97	<0.02	21.9	0.14	3.78	4.1	14.1	18.2	142.7	2.01	5.6	<2	0.9	0.4	0.31	<0.05	11.1	0.58	2.6	2.6	10.4	0.8
ANTAB2-330	12	2.75	911	0.02	29	42	4.05	1.45	33	0.18	64	0.14	263	0.06	7.8	0.05	85	115	17.5	1.59	46	0.7	2.86	0.29	11.62	3.4	2.78	13.5	0.5	0.61	0.05	6.2	0.01	75.84	1.1	4.2	151	106.1	17.7	3.4	<2	0.7	0.22	<0.05	0.21	1.7	0.49	0.8	8.8	0.8	0.1
ANTAB2-332	25	2.65	682	0.02	26	33.5	2.5	1.6	22	0.16	63	0.14	113	0.55	20.7	0.06	61	30	9.3	4.27	28	0.6	2.61	0.1	12.6	3.7	2.74	11.7	0.3	0.41	0.03	7.1	0.02	50.37	1.7	4.2	177.3	108.2	129.1	2.6	<2	0.6	0.65	<0.05	0.07	3.2	0.54	0.5	3.6	0.9	0.1
ANTAB2-333	131	1.97	1507	0.01	40	495.4	4.44	1.12	60	0.08	65	0.15	257	0.38	45.9	0.05	34	140	13.9	43	191	0.7	3.5	2.11	9.96	1.1	2.84	6.6	0.4	0.49	0.06	6.1	0.02	47.41	1.3	5.3	651.5	62.7	648.9	2	<2	0.4	3.98	0.05	0.16	2.8	0.34	1.2	3.1	1.2	0.1
ANTAB2-334	6	7.8	840	1.64	40	1647	2.6	2.55	8	0.94	494	2.88	644	0.07	582	0.23	70	39	29.3	0.73	1	2	0.24	0.04	41.65	9.9	4.3	21.3	0.5	1.29	0.07	24.3	0.15	17.19	7.6	15.8	23.1	135.9	3.25	6	<2	0.9	0.98	0.38	<0.05	13	0.61	6	54.4	12.3	0.9
ANTAB2-335	<5	7.7	977	2.17	44	1198	2.56	2.53	8	0.87	454	2.96	633	0.09	688.6	0.28	65	30	58.5	0.78	1	1.8	0.09	0.02	40.08	13	3.95	21.3	0.4	2.06	0.06	23.6	0.14	46.11	9.1	14.4	18.9	120.9	3.88	5.5	<2	1	0.91	0.32	<0.05	9.2	0.6	3.3	34.3	10.2	0.8
ANTAB2-336	<5	7.5	1015	1.68	43	63.5	2.42	2.7	9	0.87	521	2.8	626	<0.01	680.7	0.21	66	30	32.7	0.12	1	2.3	0.12	0.03	40.66	8.8	3.11	20.5	0.5	1.26	0.02	23	0.15	7.75	6.7	14.9	24.9	113.7	2.85	5.6	<2	0.9	1.66	0.33	<0.05	10.6	0.46	3.2	9.1	10.6	0.8
ANTAB2-337	<5	7.21	883	1.3	30	906.5	2.34	2.57	11	0.85	554	2.62	580	0.06	537.9	0.12	57	42	28.1	0.28	1	1.9	0.11	<0.02	40.67	9.6	3.48	19.1	0.3	1.08	0.06	23.6	0.14	8.96	3.7	12.7	25	111.6	2.3	4.9	<2	0.6	0.65	0.33	<0.05	10.2	0.51	3.1	7.1	10.1	0.8
ANTAB2-338	<5	7.55	913	2.04	34	361.2	2.36	2.66	6	0.92	462	2.79	612	0.02	704.9	0.26	67	28	42	0.16	<1	1.8	0.06	<0.02	43.16	10.5	3.96	20.3	0.4	1.66	0.03	24.6	0.15	6.59	8.6	14	19.5	114.2	0.62	5.8	<2	1.1	0.88	0.35	<0.05	12.2	0.49	3.8	14.6	10.9	0.9
ANTAB2-339	<5	3.89	645	1.45	45	27.3	2.24	2.17	6	0.76	519	2.37	530	<0.01	405.5	0.22	62	36	12.7	0.09	<1	1.8	0.05	0.03	15.9	8.4	2.14	17.8	0.7	0.72	0.02	7.8	0.1	5.11	7.1	14.5	18.3	63.3	0.89	3.1	<2	0.9	0.81	0.17	<0.05	4.7	0.41	2.3	1	4.2	0.5
ANTAB2-340	<5	7.45	955	2.07	33	14.5	2.39	2.58	9	0.89	494	2.81	659	<0.01	704.6	0.26	67	31	45.6	<0.02	2	1.9	0.08	0.03	41.14	9.8	2.41	19.7	0.4	1.78	<0.02	22.8	0.14	4.48	9.1	13.5	19.3	102	0.49	5.7	<2	0.9	1.43	0.33	<0.05	12.8	0.44	3.8	0.4	10.7	0.9
ANTAB2-342	<5	7.74	1024	2.26	42	240.6	2.44	2.74	7	0.91	467	3.01	594	<0.01	739	0.27	68	25	63.6	0.02	1	2	0.1	<0.02	43	7.6	2.35	20.3	0.5	2.22	0.02	22.7	0.16	5.91	9.5	14.1	17.3	104.3	0.38	5.9	<2	1.2	0.78	0.35	<0.05	9.4	0.43	2.7	2.5	11.9	0.9
ANTAB2-343	<5	7.4	956	2.2	39	11.8	2.58	2.52	6	0.95	534	2.81	640	<0.01	734.9	0.28	71	31	48.4	<0.02	<1	1.9	0.06	<0.02	40.39	10	3.02	20.4	0.4	1.7	<0.02	23.2	0.14	5.04	8.9	15.1	15.9	103.7	0.4	6.1	<2	0.8	2.98	0.36	<0.05	9.7	0.46	3	0.4	10.8	0.8
ANTAB2-344	<5	7.39	836	2.15	33	10.9	2.38	2.51	6	0.89	442	2.87	600	<0.01	672	0.26	65	27	50.9	<0.02	1	2.4	0.05	<0.02	40.59	8.2	2.54	19.9	0.7	2.03	0.02	23.2	0.14	4.2	9.1	12.8	17	104.7	0.36	5.6	<2	0.9	0.44	0.35	<0.05	13.4	0.46	3.2	0.6	10.2	0.9
ANTAB2-345	<5	6.91	719	1.37	43	508.1	2.01	3.15	7	0.67	347	2.51	438	<0.01	472.1	0.19	51	29	33.5	0.22	<1	1.5	0.11	<0.02	30.28	8.5	3.01	18.4	0.4	1.51	0.03	17.2	0.11	5.86	6.5	12.1	21.2	141.2	0.53	4.1	<2	0.7	1.03	0.23	<0.05	14.3	0.56	3.5	10.5	7.4	0.6
ANTAB2-346	<5	7.62	945	2.34	34	12.4	2.5	2.45	8	0.92	554	2.91	633	<0.01	752.6	0.28	72	32	59.4	0.12	1	1.6	0.1	0.02	44.09	8.5	3.24	20.4	0.4	2.24	<0.02	24.5	0.15	4.66	9.5	14.5	18.7	93.5	0.55	6.1	<2	1.2	4.07	0.36	<0.05	14.4	0.39	3.4	0.6	11.1	0.9
ANTAB2-347	<5	7.8	902	1.54	35	21.7	2.6	2.7	11	0.96	566	3.02	650	<0.01	678.6	0.2	67	46	54.8	0.02	2	1.7	0.38	<0.02	38.78	8.9	3.21	20.1	0.4	1.96	<0.02	22.3	0.13	4.32	6.3	13.6	18.5	108	0.72	5.7	<2	0.6	3.55	0.31	<0.05	9.7	0.45	2.8	0.7	9.4	0.8
ANTAB2-348	<5	7.82	934	2.24	39	855.2	2.53	2.57	7	0.92	553	2.92	652	0.06	703.7	0.24	68	57	47.4	0.3	1	2	0.12	0.14	41.04	9.5	3.13	20.5	0.3	1.7	0.04	22.6	0.15	5.37	7.9	14.3	17.3	103	0.86	6	<2	1.7	0.94	0.33	<0.05	7.9	0.45	2.5	3.8	10.4	0.8
ANTAB2-349	<5	7.76	1002	1	36	987.9	2.96	2.89	11	0.93	754	3.04	682	0.03	662.4	0.15	68	47	42.7	0.45	2	2	6.38	<0.02	43.4	11.6	3.17	22.2	0.6	1.5	0.08	24.2	0.13	4.79	4.4	15.6	18	118.5	1.26	5.8	<2	0.7	1.4	0.35	<0.05	12.5	0.52	2.9	0.9	10.4	0.8
ANTAB2-351	<5	8.53	141	0.15	17	11.1	2.29	2.27	8	0.41	679	1.91	435	<0.01	123.7	0.09	63	81	41.1	0.06	2	1.6	0.08	0.2	28.64	8.7	6.66	21.9	0.4	1.74	0.03	18.1	0.12	1.13	1.7	12.5	15.8	128.9	2.6	3.9	<2	0.6	3.07	0.26	<0.05	4.6	0.61	1.1	0.6	9.5	0.7
ANTAB2-352	106	0.91	3603	0.02	21	305.4	2.76	0.63	13	0.04	50	0.03	137	0.68	8145	0.03	13	246	2.4	28	118	0.2	9.04	3.58	3.2	1.4	0.91	2.8	0.9	0.11	0.04	2	0.02	26.07	0.7	5.6	1048	34.3	306.9	0.7	<2	1	0.43	<0.05	0.06	0.8	0.22	0.6	3.2	0.6	0.1
ANTAB2-353	<5	8.01	1193	2.68	36	32.4	2.69	2.57	6	1.1	521	3.04	730	<0.01	781.6	0.28	80	32	39.8	0.18	2	2.3	0.11	0.03	43.26	10.8	2.19	20.3	0.4	1.41	0.03	24.4	0.14	3.85	7.9	15.7	18.7	96.7	1.63	7.1	<2	1	0.87	0.37	<0.05	7.9	0.37	1.4	1	11.1	0.8
ANTAB2-354	126	1.09	4077	0.02	16	633.4	4.86	0.57	16	0.05	68	0.05	133	0.64	3520	0.02	16	402	2.1	112	234	0.4	5.42	0.84	4	0.9	1.04	3.9	0.9	0.15	0.53	2.3	0.02	11.52	0.6	4.2	3961	32.3	446.3	1.1	<2	0.5	0.45	<0.05	0.05	2.8	0.18	0.6	1.5	0.8	0.1
ANTAB2-355	<5	7.85	1913	2.35	47	40	2.87	2.64	10	1.02	683	2.81	709	0.03	747.5	0.21	78	53	39.3	0.18	3	1.3	0.13	0.05	44.88	10.7	3.06	19.8	0.3	1.47	0.03	25.4	0.14	5.53	5.7	15.7	35.5	98.8	2.03	6.7	<2	1	0.77	0.36	0.05	11.1	0.48	2.5	1.2	11.4	0.9

Código	Au	Al	Ba	Ca	Cr	Cu	Fe	K	Li	Mg	Mn	Na	P	S	Sr
	ppb	%	ppm	%	ppm	ppm	%	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm
ANTAB2-356	720	0.66	71	0.01	22	57620	20.51	0.25	29	0.02	1214	0.17	224	>5	48.2
ANTAB2-357	<5	7.37	1343	0.71	26	47.3	1.39	2.53	9	0.13	410	2.56	469	0.02	461.3
ANTAB2-358	159	1.19	896	0.03	53	581.6	5.72	0.66	57	0.08	165	0.09	343	1.61	510.3
ANTAB2-359	36	4.88	5881	0.16	54	833.5	2.98	1.51	44	0.16	2080	1.35	566	0.19	140.2
ANTAB2-361	398	4.64	969	0.08	37	240.5	2.28	1.91	53	0.2	473	0.45	244	0.07	35
ANTAB2-362	3344	1.91	250	0.03	32	8632	9.77	0.68	63	0.08	127	0.12	410	0.16	23.2
ANTAB2-363	39	7.99	882	2.2	50	1190	2.7	2.83	9	0.84	312	3.02	627	0.07	607.5
ANTAB2-364	11	7.24	1573	1.81	46	1324	2.73	2.78	8	0.75	395	3.08	632	0.08	577.1
ANTAB2-365	7	6.83	939	0.9	23	30.3	1.49	2.49	9	0.35	274	3.66	372	<0.01	357.9
ANTAB2-366	5	7.32	1090	0.76	41	30.4	2.47	3.66	13	0.5	450	2.33	546	0.11	196.7
ANTAB2-367	<5	8.46	1430	1.06	28	12.1	1.57	2.92	10	0.37	355	3.39	396	<0.01	612.3
ANTAB2-368	<5	8.54	672	1.82	42	21.1	2.48	2.28	9	0.63	721	3.29	718	0.03	488.4
ANTAB2-369	146	0.32	1899	0.01	20	670.8	3.59	0.06	25	0.02	219	0.06	<50	1.02	4638
ANTAB2-370	10	7.41	970	0.22	31	3159	2.4	2.74	16	0.29	864	0.79	433	0.08	52.6
ANTAB2-372	170	1.73	7256	0.03	54	679.4	7.6	0.67	84	0.06	3944	0.11	216	0.25	50.1
ANTAB2-373	767	1.92	5570	0.03	50	162.2	2.86	0.77	36	0.08	217	0.11	90	0.46	1119
ANTAB2-374	216	2.67	1001	0.03	48	1988	5.49	1.04	60	0.11	6711	0.17	688	0.5	31.4
ANTAB2-375	1069	2.68	746	0.11	43	20560	6.47	1.26	41	0.13	2437	0.1	240	1.45	32
ANTAB2-376	9	8.17	1084	1.43	52	1701	2.67	3.25	9	0.85	297	2.64	673	0.14	552.9
ANTAB2-377	1788	3.22	631	0.03	41	513	4.56	1.4	26	0.13	168	0.15	96	0.13	15.4
ANTAB2-378	21	8.43	889	1.61	47	1552	2.97	3.15	8	0.73	425	2.96	580	0.1	516.6
ANTAB2-379	7	8.54	1288	1.11	47	1512	2.95	3.58	12	0.85	492	2.76	699	0.38	488.4
ANTAB2-381	<5	8.27	1063	1.91	53	343.3	2.41	3.15	9	0.68	301	2.97	508	0.04	549
ANTAB2-382	<5	8.5	921	2.28	46	64.1	3.22	2.41	12	0.88	621	3.19	789	<0.01	683.8
ANTAB2-383	8	7.66	1013	1.72	40	345.1	2.64	2.62	14	0.78	472	2.79	592	0.02	567.7
ANTAB2-384	<5	8.57	909	2.1	46	71.5	3.04	2.5	18	0.82	596	3.16	828	<0.01	675
ANTAB2-385	111	6.06	594	0.13	43	2204	5.89	2.11	30	0.23	383	0.39	851	0.02	67.5
ANTAB2-386	30	5.65	394	0.06	44	114.1	4.09	1.79	20	0.2	1013	1.21	369	0.02	47.3
ANTAB2-387	7	6.52	934	0.38	51	11.9	2.57	2.95	16	0.57	620	1.75	415	0.02	108.7
ANTAB2-388	69	3.1	1427	5.94	58	516.9	2.61	1.11	27	0.79	3405	0.17	169	0.23	157.7
ANTAB2-389	14	6.53	742	0.1	53	33.3	4.4	2.68	14	0.45	251	1.69	509	0.19	119.1
ANTAB2-390	15	3.04	166	1.34	51	18.9	2.95	1.46	64	0.31	1199	0.12	173	0.43	24.7
ANTAB2-391	167	3	2339	0.02	50	2663	6.38	1.3	19	0.12	82	0.12	184	0.48	13.7
ANTAB2-393	187	7.84	1083	1.6	45	3521	2.85	2.5	11	0.92	351	2.85	716	0.03	633.5
ANTAB2-394	489	3.72	2443	0.02	39	4526	6.22	1.63	39	0.13	72	0.2	701	0.53	22.9
ANTAB2-395	<5	9.21	952	0.11	20	28.3	1.99	2.92	8	0.39	414	2.44	258	<0.01	185.3
ANTAB2-396	6	8.56	469	0.19	32	43	1.86	2.7	8	0.28	420	2.51	426	0.01	168.7
ANTAB2-397	<5	7.89	1144	2.33	45	33.3	2.73	2.35	8	0.89	559	2.89	722	0.01	690.6
ANTAB2-398	<5	8.38	483	1.39	14	24.3	1.95	2.77	8	0.45	595	2.52	561	<0.01	266.1
ANTAB2-399	<5	7.84	822	0.98	52	20.4	2.72	3.21	12	0.43	771	2.58	659	<0.01	280.2
ANTAB2-400	8	8.82	789	1.92	35	32.4	2.14	2.27	18	0.52	561	3.24	529	0.01	268.1
ANTAB2-402	285	1.41	68	0.06	58	3384	3.87	0.53	63	0.07	237	0.07	81	1.11	6
ANTAB2-403	52	2.78	175	0.15	72	10290	4.11	1.25	30	0.11	690	0.17	199	1.18	10.1
ANTAB2-404	202	3.62	588	0.02	66	430.9	7.02	2.13	29	0.16	116	0.19	244	1.76	25.3
ANTAB2-405	6	1.72	64	0.02	57	51.4	1.71	0.61	15	0.08	514	0.23	90	0.02	6.6
ANTAB2-406	<5	8.81	753	1.19	50	18.8	3.1	2.97	13	0.9	787	2.92	770	<0.01	337.2
ANTAB2-407	349	3.57	322	0.05	59	121.4	1.8	1.81	77	0.14	405	0.21	324	<0.01	26.7
ANTAB2-408	19	8.07	847	2.2	37	3756	3.24	2.37	8	0.92	627	3.04	705	0.21	665.7
ANTAB2-409	63	3.28	290	0.06	29	393.6	14.35	0.79	25	0.71	1746	0.62	540	0.1	22.6
ANTAB2-410	151	1.84	91	0.05	57	610.9	1.58	0.73	64	0.1	236	0.26	113	0.1	11.4
ANTAB2-412	3812	1.73	87	0.05	51	167.5	2.31	0.65	52	0.07	202	0.24	75	0.12	9.1
ANTAB2-413	2761	1.72	93	0.04	61	350.7	2.36	0.62	59	0.08	136	0.17	84	0.08	12.5
ANTAB2-414	3037	2.61	5153	0.09	59	1472	2.33	1.06	52	0.14	343	0.25	125	0.64	202.8
ANTAB2-415	64	5.07	230	4.51	36	834.2	2.82	2.05	23	0.84	2918	0.61	411	0.27	124.2
ANTAB2-416	13	7.53	424	0.82	26	15	1.75	2.29	10	0.25	591	2.36	517	<0.01	159.6
ANTAB2-417	<5	7.98	964	1.83	44	15.7	7.29	2.13	7	0.73	457	2.43	1092	<0.01	649.4
ANTAB2-418	<5	8.37	968	0.77	42	22.1	4.15	2.65	11	0.66	314	2.51	427	<0.01	486.4
ANTAB2-419	<5	8.17	627	1.03	42	9.9	5	1.2	9	0.6	333	2.47	853	<0.01	476.3
ANTAB2-420	51	2.23	199	0.88	67	402.4	3.05	0.94	28	0.28	1362	0.25	163	0.94	31.2
ANTAB2-422	100	5.42	285	0.1	41	137.7	6.19	0.99	16	0.54	362	2.66	430	1.45	117.8
ANTAB2-423	8660	2.37	310	0.05	66	7799	7.07	1.17	37	0.11	202	0.13	152	4.85	14.3
ANTAB2-424	1001	4.34	629	0.05	59	12340	5.36	2.17	26	0.21	174	0.31	381	2.88	39
ANTAB2-425	58	6.75	158	0.58	64	207	3.33	2.32	34	0.87	952	0.84	564	0.08	37.2
ANTAB2-426	2488	3.65	143	0.1	65	4653	3.51	1.59	50	0.23	331	0.15	259	2.17	13.2
ANTAB2-427	501	5.54	493	0.04	55	360.1	6.19	2.76	16	0.3	180	0.22	490	0.53	36.5
ANTAB2-428	11	6.45	1081	0.75	52	22.1	3.46	3.81	48	0.36	880	0.71	518	0.93	80.3
ANTAB2-429	64	4.2	265	0.08	70	2932	3.27	1.68	26	0.35	831	0.29	338	0.44	10.7
ANTAB2-430	11	3.29	287	0.07	58	2676	4.13	1.53	33	0.25	204	0.19	257	1.1	20.2
ANTAB2-432	15	7.75	1166	0.88	35	123.7	1.89	2.3	16	0.5	513	3.07	560	0.05	851.8
ANTAB2-433	118	1.23	126	0.04	25	918.6	24.85	0.26	52	0.04	339	0.34	365	0.21	14.5
ANTAB2-434	100	8.34	896	0.12	21	1350	6.99	2.87	18	0.71	427	0.35	785	0.01	69.3
ANTAB2-435	84	1.72	449	0.02	55	341.9	2.87	0.78	27	0.15	414	0.07	102	0.28	18.3
ANTAB2-436	9	6.89	1466	0.61	40	25.5	3.49	2.45	20	0.66	511	2.8	528	0.58	178.7
ANTAB2-437	<5	1.72	210	0.03	36	16	1.92	0.73	40	0.06	876	0.09	118	0.03	15.4
ANTAB2-438	21	5.96	1751	1.34	43	51.4	3.47	2.46	25	0.59	866	1.92	506	0.87	181.8
ANTAB2-439	19	4.71	1338	0.15	57	26.7	7.43	2.57	19	0.72	533	0.8	461	0.74	111
ANTAB2-440	9	4.96	652	0.35	42	64.7	2.7	2.06	25	0.75	758	1.51	415	0.15	153.9
ANTAB2-442	282	1.67	87	0.02	55	715.8	5.76	0.69	78	0.07	112	0.12	143	0.32	10.4
ANTAB2-443	9	4.2	72	0.13	48	481.2	3.19	0.72	28	1.12	1011	1.35	337	0.04	30.8
ANTAB2-444	14	6.46	3011	0.09	34	48.1	3.59	4.91	36	0.9	459	0.96	449	0.67	247.4
ANTAB2-445	24	5.94	2525	0.1	43	8854	6.43	3.75	10	0.58	288	1.51	473	1.11	248.5

Código	Ti	V	Zn	Zr	Ag	As	Be	Bi	Cd	Ce	Co	Cs	Ga	Ge	Hf	In	La	Lu	Mo
	%	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-356	<0.01	11	2286	15.1	330	3942	0.1	381.9	43.8	4.56	7.8	0.79	2.3	1.2	0.5	3.23	2.5	0.02	9.77
ANTAB2-357	0.1	41	46	25.6	0.25	2	1.8	0.31	0.06	21.87	4.4	3.2	19.1	0.3	1.03	0.02	9.9	0.06	4.2
ANTAB2-358	0.02	38	430	6.3	102	347	0.6	18.4	4.32	9.21	3.4	1.77	6.1	5.4	0.1	0.24	4.7	<0.01	67.68
ANTAB2-359	0.1	53	1107	16.2	35	87	1.6	6.75	7.01	18.97	8.5	4.05	14.5	1.4	0.5	0.27	8	0.08	18.62
ANTAB2-361	0.06	51	73	29.8	3.01	9	1.2	1.01	0.39	10.16	7.8	5.65	10.1	0.4	0.87	0.05	6.8	0.05	7.21
ANTAB2-362	0.02	35	89	15.4	139	107	1.1	444.7	0.25	4.82	3.4	4.91	5.3	0.5	0.44	1.45	2.7	0.04	111.81
ANTAB2-363	0.26	77	33	42.7	2.17	2	2	6.42	<0.02	36.3	8.8	3.53	20.1	0.6	1.46	0.06	19.3	0.15	39.4
ANTAB2-364	0.23	76	41	41.2	1.6	5	1.8	0.44	0.06	31.83	10.6	2.53	20.7	0.8	1.48	0.07	17	0.12	10.09
ANTAB2-365	0.09	37	52	26.8	0.23	2	1.6	0.79	0.04	7.8	3.6	1.66	18.5	0.3	1.12	0.02	3.6	0.03	5.91
ANTAB2-366	0.1	63	57	33.1	0.32	2	1.3	0.16	0.03	24.9	7.3	6.48	17.9	0.3	1.03	0.02	13.5	0.1	7.07
ANTAB2-367	0.08	42	48	59.6	0.54	<1	1.2	0.13	<0.02	17.57	4.4	3.53	21	0.1	1.91	<0.02	8.4	0.07	5.3
ANTAB2-368	0.17	82	66	42.3	0.43	2	2	0.3	0.09	39.91	7.5	6.69	21.7	0.3	1.51	0.04	21.4	0.14	17.84
ANTAB2-369	<0.01	11	566	7.1	85	238	0.2	3.91	4.08	3.49	1.3	0.58	1.5	1.2	0.17	0.18	2.5	0.01	17.08
ANTAB2-370	0.06	46	2970	37.1	3.13	54	1.4	0.84	13.7	24.92	8	6.44	19.1	0.1	1.5	0.22	10.2	0.09	4.45
ANTAB2-372	0.02	29	999	11.6	38	117	0.8	2.91	3.81	17.71	5.2	2.65	4.6	0.8	0.29	0.08	8.7	0.05	26.23
ANTAB2-373	0.02	25	34	11.7	3.44	15	0.6	3.72	<0.02	4.57	2.4	1.69	5.6	0.6	0.21	0.06	2.6	0.02	232.35
ANTAB2-374	0.02	42	267	11.5	16	126	1.3	8.76	1.89	15.41	8.8	4.46	7.5	0.5	0.44	0.16	9	0.12	11.29
ANTAB2-375	0.03	33	84	9	8.93	4	0.9	5.67	0.04	22.6	11.6	5.1	8.4	0.3	0.27	0.72	13	0.19	277.12
ANTAB2-376	0.21	71	41	38	1.53	2	1.6	0.71	<0.02	35.99	10.7	4.77	20.3	0.3	1.4	0.13	19.7	0.14	99.27
ANTAB2-377	0.01	72	35	18.7	5.74	39	0.9	54.2	<0.02	7	3.2	3.09	15.4	0.1	0.48	0.3	3.9	0.01	87.09
ANTAB2-378	0.2	72	41	45.8	1.14	4	2.3	0.7	<0.02	29.7	10.7	3.65	21.1	0.4	1.65	0.06	15.8	0.13	24.24
ANTAB2-379	0.2	75	60	43	1.09	1	1.9	0.55	0.05	30.75	16.9	4.54	21.9	0.8	1.5	0.08	17.2	0.13	9.25
ANTAB2-381	0.22	61	32	41.9	0.23	2	1.5	0.16	<0.02	30.63	8.6	2.21	19.3	0.7	1.49	0.02	15.2	0.11	8.17
ANTAB2-382	0.25	94	66	29.4	0.11	3	1.9	0.1	0.09	37.54	10.5	3.23	20.7	0.9	1.07	0.03	19.2	0.14	8.11
ANTAB2-383	0.22	75	48	29.1	0.39	1	1.9	0.22	0.05	42.7	8.6	2.26	19.8	0.4	1.12	0.04	23.5	0.17	12.51
ANTAB2-384	0.19	88	59	46.8	0.16	2	2.1	0.1	0.12	40.84	11.3	4.06	22.1	0.5	1.6	0.03	22	0.14	5.87
ANTAB2-385	0.1	80	227	32.8	7.68	102	1.7	19.6	0.76	26.2	21.6	13.7	15.7	0.4	0.95	0.2	15.3	0.11	25.21
ANTAB2-386	0.05	80	66	27.8	0.92	8	1.4	3.33	0.14	18.92	24.3	5.07	18.1	0.9	0.92	0.18	7.9	0.03	13.9
ANTAB2-387	0.08	59	57	26.4	0.19	2	1.2	0.29	0.05	29.82	5.6	4.44	16.7	0.6	0.91	0.03	16.9	0.09	10.08
ANTAB2-388	0.04	34	81	19.6	0.76	14	1.3	5.74	0.06	22.62	13.5	3.18	9.8	0.4	1.2	0.25	13.3	0.1	56.49
ANTAB2-389	0.1	68	52	31.6	0.5	18	1.4	2.81	<0.02	29.55	8.1	4.59	18.3	0.6	1.15	0.05	15.5	0.05	28.21
ANTAB2-390	0.04	76	54	14.4	0.56	14	1.7	0.7	0.12	22.03	6.1	8.3	12.1	0.4	0.47	0.11	12.1	0.05	20.13
ANTAB2-391	0.03	27	66	15.7	28	35	0.8	36.9	0.09	4.27	2.6	3.52	8.2	0.1	0.52	1.55	2.1	0.02	9.18
ANTAB2-393	0.23	82	56	29.3	2.67	2	1.7	8.52	0.07	27.69	9.7	4.47	20.6	0.4	1.09	0.05	14.2	0.09	7.17
ANTAB2-394	0.05	32	73	22.1	69	96	1.2	443.4	0.32	8.2	5.3	7.06	10.3	0.8	0.86	1.3	4.3	0.03	20.57
ANTAB2-395	0.11	55	68	63.9	0.56	1	1.7	1.67	0.03	9.62	5	4.15	22.5	0.4	2.14	0.02	4.1	0.04	4
ANTAB2-396	0.08	46	69	48.2	0.09	2	1.8	0.17	<0.02	13.59	4.8	7.52	22	0.3	1.8	0.03	5.9	0.05	6.23
ANTAB2-397	0.25	80	45	41.1	0.48	1	1.9	0.44	<0.02	39.21	10.1	2.45	20	0.4	1.5	0.02	21	0.14	5.85
ANTAB2-398	0.1	45	58	31.3	0.29	<1	1.9	0.25	0.06	27.03	5.1	7.37	23.3	0.3	1.48	0.03	13.9	0.06	3.43
ANTAB2-399	0.14	78	60	46.2	0.16	2	1.7	0.23	0.02	39.09	7.9	6.42	19.6	0.7	1.55	0.03	19.9	0.15	8.54
ANTAB2-400	0.11	55	98	35.1	0.21	1	1.9	0.14	<0.02	15.91	6.1	3.32	19.6	0.2	1.3	0.02	7.3	0.05	12.85
ANTAB2-402	0.02	24	22	6.5	5.53	10	0.7	18.8	0.05	11.15	6.9	1.1	4.7	0.3	0.14	0.36	6.1	0.01	15.35
ANTAB2-403	0.04	36	145	10.3	14	146	0.8	16.6	0.47	13.03	2.9	3.01	9	0.3	0.44	0.66	7.4	0.03	17.03
ANTAB2-404	0.04	45	73	16.7	6.95	196	1	61.8	0.27	10.57	5.6	2.87	10.2	0.4	0.53	0.29	5.6	0.02	16.59
ANTAB2-405	0.02	32	34	3.7	0.35	2	0.4	0.37	0.07	6.02	2.8	1.38	5.3	0.2	0.14	0.04	3.6	0.02	12.59
ANTAB2-406	0.17	85	71	46.5	0.33	2	1.9	0.32	<0.02	25.39	10.1	4.69	21.1	0.9	1.33	0.03	15.2	0.11	8.17
ANTAB2-407	0.04	45	123	9.5	7.03	40	0.9	0.54	0.26	16.22	5.6	4.2	9.3	0.5	0.33	0.03	8.7	0.03	7.93
ANTAB2-408	0.25	80	49	25.6	8.48	1	1.9	0.2	0.07	38.51	10.9	3.05	20.6	0.4	1.18	0.11	20.7	0.12	10.36
ANTAB2-409	0.03	69	112	32.1	2.41	82	1.1	28.3	0.15	26.39	23.3	3.2	11.1	1.1	0.87	0.85	12.7	0.06	19.96
ANTAB2-410	0.03	51	91	6.9	19	20	0.7	9.24	1.26	7.03	2.5	2.13	7.5	0.4	0.2	0.15	3.8	0.01	39.13
ANTAB2-412	0.02	61	60	7.8	3.34	33	1	2.65	0.25	7.19	3.6	0.78	7.9	0.3	0.24	0.18	4	<0.01	24.91
ANTAB2-413	0.02	57	37	6.1	13	48	0.6	6.35	0.41	7.63	1.5	2	7.4	0.2	0.2	0.15	3.9	0.01	16.67
ANTAB2-414	0.03	85	151	6.6	64	30	1.1	103.5	1.51	9.93	5.2	3.14	11.5	0.3	0.19	0.22	5.4	0.02	47.07
ANTAB2-415	0.06	58	78	30.3	1.94	11	1.1	4.83	<0.02	29.13	14.3	5.99	15.3	0.4	0.96	0.06	15.7	0.11	56.09
ANTAB2-416	0.08	50	72	46.4	0.24	<1	1.7	0.41	0.1	23.03	4.1	8.49	20.7	0.5	1.86	0.03	13.4	0.08	5.63
ANTAB2-417	0.27	89	40	30.4	0.06	3	1.8	0.17	0.05	40.49	13	2.51	21	0.6	1.18	0.02	22.6	0.15	5.55
ANTAB2-418	0.16	95	66	46.8	0.28	2	2.2	0.4	0.02	39.3	13.1	4.61	23.2	0.7	1.66	0.04	20.9	0.15	7.8
ANTAB2-419	0.22	85	49	26	0.08	3	2.2	0.16	0.04	42.67	11.6	3.16	22	0.7	1.1	0.08	23.5	0.24	7.5
ANTAB2-420	0.03	30	32	9.9	0.67	4	0.7	3.61	<0.02	11.62	22.9	1.91	7.3	0.2	0.32	0.08	6.4	0.05	15.02
ANTAB2-422	0.08	61	45	30.3	0.57	37	1.1	8.55	<0.02	12.3	13.2	1.32	16.6	0.3	0.99	0.07	5	0.05	75.55
ANTAB2-423	0.05	34	392	15.4	76	34	0.9	314.8	2.74	10.41	20.3	3.4	6.3	0.7	0.45	0.6	5.4	0.02	17.25
ANTAB2-424	0.07	63	259	20.9	27	185	1.2	105.9	2.52	21.4	19.1	5.28	13.9	0.8	0.66	0.85	11.4	0.03	16.34
ANTAB2-425	0.14	75	376	35	1.34	5	1.7	3.56	1.2	24.99	8.2	4.62	17.7	0.7	1.01	0.11	13.2	0.09	12.35
ANTAB2-426	0.05	86	4745	14	48	103	1.2	8.49	94.4	17.05	9.4	4.79	15.8	0.5	0.41	0.47	9.5	0.03	20.21
ANTAB2-427	0.08	80	120	29.7	18	44	1.4	38.3	0.52	18.82	3.6	6.19	18.4	0.3	0.96	0.16	10.2	0.02	16.67
ANTAB2-428	0.07	76	79	15.7	1.12	3	1.7	6.77	0.23	31.12	13.5	6.14	18	0.3	0.54	0.1	18.1	0.09	15.38
ANTAB2-429	0.08	68	48	24	6.54	5	1.5	89.4	0.11	25.35	8	3.6	14.6	0.2	0.81	0.37	12.4	0.05	17.5
ANTAB2-430	0.06	51	25	20.1	1.69	6	0.9	3.37	<0.02	11.97	4.8	3.53	14.1	0.3	0.59	0.3	6.3	0.02	14.75
ANTAB2-432	0.07	44	63	41.3	1.27	1	1.8	3.6	0.07	21.91	6	3.88	21.6	0.3	1.83	0.03	11.3	0.09	6.96
ANTAB2-433	0.01	49	83	30.3	2.61	54	0.7	23.9	0.3	19.76	28.7	2.33	6.9	2.7	0.75	0.42	12.2	0.04	252.58
ANTAB2-434	0.15	104	63	26.9	4.66	19	3.7	145.9	0.06	35.91	7.5	123.2	26.5	0.6	0.96	0.62	25.6	0.1	24.77
ANTAB2-435	0.02	35	12	5.8	0.93	19	1	6.88	<0.02	7.5	41.4	1.44	7.4	0.1	0.13	0.08	3.9	0.02	61.78
ANTAB2-436	0.08	62	55	25.9	0.6	4	1.3	2.71	<0.02	18.22	16.1	3.57	17.9	0.5	0.83	0.07	9.2	0.06	31.82
ANTAB2-437	0.02	23	81	5.2	0.3	3	0.4	1.15	0.08	4.84	5.7	2.3	5.7	0.1	0.18	0.02	2.2	0.01	7.49
ANTAB2-438	0.08	61	76	20.3	0.48	6	1.4	1.63	0.08	28.8	13.9	4.25	17	0.5	0.76	0.04	16.4	0.09	18.62
ANTAB2-439	0.08	66	68	29.7	0.83	14	0.8	6.35	0.03	23.84	9.5	2.72	16.2	0.5	0.96	0.09	12.6	0.04	17.11
ANTAB2-440	0.07	51	79	16.5	5.99	4	0.9	102.8	0.07	23.11	9.3	3.02	13.1	0.4	0.54	0.03	10.7	0.06	9.16
ANTAB2-442	0.02	42	58	8.4	3.44	41	0.7	44.2	0.09	9.08	2.2	2.31	7.9	0.5	0.22	0.19	5	0.02	20.05
ANTAB2-443	0.07	102	109	21.1	0.92	4	0.8	0.46	0.06	31.75	8.2	1.92	14.6	0.4	0.74	0.13	19.8	0.06	7.15
ANTAB2-444	0.06	45	69	32.9	0.54	12	1	6.37	<0.02	24.19	6.3	2.1	16.9	0.5	1.14	0.02	11.8	0.05	34.11
ANTAB2-445	0.07	53	49	32.5	11	14	0.8	131.9	0.14	14.31	3.4	2.17	16.5	0.5	1.1	1.01	8.1	0.04	30.65

Código	Nb	Ni	Pb	Rb	Sb	Sc	Se	Sn	Ta	Tb	Te	Th	Tl	U	W	Y	Yb
	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-356	0.3	5.3	2136	15.5	6316	<0.1	24	0.9	0.44	0.07	0.43	0.3	0.1	2.1	0.5	1.6	0.1
ANTAB2-357	3.3	7.1	34.8	111.1	8.51	3	<2	0.6	1.55	0.13	<0.05	6.2	0.52	1.4	0.5	3.7	0.3
ANTAB2-358	0.8	6.3	1282	38.7	1383	1.4	<2	1	0.16	0.05	0.13	0.9	0.23	0.9	1.1	1	0.1
ANTAB2-359	3.3	10.8	427.7	77.2	372.1	3.4	<2	1.3	1.08	0.1	0.07	5.2	0.55	2.8	2.5	3.1	0.4
ANTAB2-361	1.4	7.1	221.5	84.8	29.2	2.2	<2	0.6	1.68	0.1	<0.05	1.5	0.48	1.2	1.9	4.4	0.3
ANTAB2-362	0.6	5.4	1394	39.9	105.7	1.1	9	0.5	0.76	0.06	0.93	0.9	0.26	5.2	1.2	2.2	0.2
ANTAB2-363	9.1	12.9	28.1	133.2	2.75	5.4	<2	1.2	1.56	0.28	<0.05	9.1	0.71	4.4	60.6	9.3	0.8
ANTAB2-364	7.4	14.2	27.1	98.6	20.9	4.8	<2	1.4	1.22	0.23	0.05	5.7	0.56	2.9	25.2	7.3	0.7
ANTAB2-365	2.5	4.7	18.6	72.5	1	2	<2	0.7	1.32	0.07	<0.05	1.5	0.41	1	1.1	2.2	0.2
ANTAB2-366	2.8	11.1	17.7	155.1	4.8	4.3	<2	0.9	1.04	0.15	<0.05	10.8	0.84	2.4	3.5	4.2	0.5
ANTAB2-367	2.6	7.4	16.2	114.6	1	2.4	<2	1.1	2.61	0.14	<0.05	2.8	0.64	1.2	1.2	4.2	0.4
ANTAB2-368	5	14	15.7	114.9	2.63	5.9	<2	1.1	1.14	0.28	<0.05	8.2	0.6	2.2	5.5	9.3	0.8
ANTAB2-369	0.2	4	395	4.1	945	0.1	<2	0.4	1.12	<0.05	0.07	<0.2	0.04	0.5	0.3	0.6	<0.1
ANTAB2-370	1.4	7.7	144.9	170	93.8	2.8	2	1	0.86	0.18	<0.05	3.8	0.91	2.1	2.1	5.7	0.5
ANTAB2-372	0.7	9	1892	38.7	249.3	1.5	<2	0.4	1.14	0.11	0.2	1.5	0.24	0.9	6.2	3.3	0.2
ANTAB2-373	0.7	6.6	73.2	37	48.5	1.4	<2	0.5	1.12	<0.05	0.09	1.3	0.25	0.4	6.5	0.7	0.1
ANTAB2-374	0.6	11.6	236.8	56.8	286.3	2.1	<2	0.7	1.1	0.28	<0.05	1	0.37	7.3	1.6	9.2	0.7
ANTAB2-375	1	11.3	47.5	70.4	27.3	3.3	2	0.6	0.2	0.36	0.16	5.9	0.34	7.9	8.2	11.4	1.1
ANTAB2-376	7.2	13.8	17.7	157.4	2.44	5.2	<2	1.2	1	0.24	0.06	8.7	0.72	7.8	95.1	8.9	0.8
ANTAB2-377	0.5	7.5	77.9	78.1	12.3	2.7	<2	0.8	0.92	<0.05	0.11	1.8	0.39	0.6	17.2	1.1	0.1
ANTAB2-378	7.6	13	17.6	131.4	1.01	5.2	<2	1.1	1	0.22	0.11	8.3	0.71	2.6	65.1	7.1	0.7
ANTAB2-379	5.2	15.4	17.9	173.5	1.69	6.4	<2	1.3	0.97	0.26	<0.05	6.2	0.93	2.3	22.2	7.7	0.7
ANTAB2-381	7.4	14.8	14.8	114.7	0.61	4.7	<2	1.2	1.29	0.24	<0.05	8.7	0.56	3.1	8	7.8	0.7
ANTAB2-382	6.7	15.6	22.8	85.2	1.22	7.3	<2	1.1	1.54	0.29	<0.05	7.5	0.48	1.3	0.7	8.8	0.8
ANTAB2-383	7.8	12.4	21.6	100.7	1.95	5.8	<2	1.2	1.86	0.26	<0.05	11	0.43	2.1	1.3	9.6	0.9
ANTAB2-384	5.6	17	17.6	108.4	1.59	6.7	<2	1.2	0.95	0.3	<0.05	8.8	0.51	1.4	1.3	10.5	0.9
ANTAB2-385	2.6	11.5	1701	112.4	261.6	5.6	<2	0.8	1.05	0.21	<0.05	6.1	0.62	13.9	4.3	8	0.7
ANTAB2-386	1.2	11	43.9	119.3	18.4	4.5	<2	1.2	0.71	0.05	0.07	6.3	0.64	1.4	1.6	1.7	0.2
ANTAB2-387	3.1	10.3	14.1	161.9	2.65	4.3	<2	0.9	0.81	0.17	<0.05	10	0.76	2.2	4.9	6.7	0.6
ANTAB2-388	1.4	13.5	30.1	64.1	7.46	1.6	<2	1.1	0.49	0.28	<0.05	4.4	0.4	1.2	6.8	10.9	0.7
ANTAB2-389	3.8	10.1	40.3	153.2	4.21	4.6	<2	1.2	0.74	0.11	0.07	9.1	0.8	1.4	9.6	3.2	0.3
ANTAB2-390	1.2	9.8	193.2	93	113.2	2.9	<2	1	1.17	0.1	0.11	2.9	0.53	2.3	2.5	3.7	0.3
ANTAB2-391	1	7.5	201.5	68.9	81.6	1.2	5	0.8	0.4	<0.05	0.13	1.1	0.39	2	1.4	1.3	0.1
ANTAB2-393	6.5	14.4	19	137.1	2.43	5.9	<2	1	1.22	0.2	0.49	8.1	0.63	1.6	0.8	7.3	0.6
ANTAB2-394	1.4	8.5	281.3	85.1	74.2	2	10	0.8	0.66	0.07	0.45	1.4	0.49	31.8	1.4	2.5	0.2
ANTAB2-395	2.5	5.3	13.7	135	2.56	3.5	<2	0.8	2.1	0.05	<0.05	3	0.72	1.4	1.1	1.7	0.3
ANTAB2-396	1.9	5.9	10.8	131.3	2.58	3	<2	1	0.81	0.08	<0.05	3.3	0.62	1.3	1.6	2.4	0.3
ANTAB2-397	8.4	16.3	16.2	94.2	2.44	5.9	<2	1.2	1.06	0.29	0.11	8.9	0.39	2.2	0.5	10.9	0.9
ANTAB2-398	2.9	5.3	8.3	141.5	0.94	2.7	<2	1.1	0.47	0.15	<0.05	4.7	0.74	1.6	1	4.8	0.4
ANTAB2-399	4.3	14.4	18	151.7	3.28	5.6	<2	1	1.12	0.26	<0.05	6.2	0.76	1.8	3.2	9	0.9
ANTAB2-400	2.1	8.8	26.7	81.9	1.74	3.1	<2	1	0.64	0.13	<0.05	2.7	0.49	1.2	1.1	4	0.4
ANTAB2-402	0.7	7.8	22.4	27.4	27	1.1	<2	0.5	0.29	<0.05	0.12	1.5	0.16	0.5	1.3	0.6	<0.1
ANTAB2-403	1.1	9.7	94.2	66.6	92.1	2.4	<2	0.8	0.21	0.06	<0.05	3.9	0.39	1.3	3.5	2.1	0.2
ANTAB2-404	1.4	10.5	157.2	112.2	107.9	2.9	2	5.2	0.73	<0.05	0.48	3.4	0.6	0.4	3.9	0.7	0.1
ANTAB2-405	0.6	7.9	15.6	37.4	3.97	0.5	<2	0.7	<0.05	<0.05	<0.05	1.2	0.21	1	1.2	0.9	0.1
ANTAB2-406	3.4	14.1	15.1	133.5	2.42	6.9	<2	0.9	0.12	0.2	<0.05	5.8	0.68	1.9	3.2	6.2	0.6
ANTAB2-407	1.3	11.3	1066	105.1	114.3	3.1	<2	0.8	0.87	0.08	0.11	4.5	0.6	1.8	2.1	2.3	0.2
ANTAB2-408	7.4	16.8	14.4	97.6	1.15	6.3	3	1	1.91	0.3	<0.05	11.2	0.46	3	6.1	9.5	0.8
ANTAB2-409	0.9	10.6	92	50.8	34.4	2	<2	0.7	<0.05	0.14	0.67	2.3	0.32	2.1	2	5.5	0.4
ANTAB2-410	0.7	8.4	339.4	49.7	77.2	1.8	<2	0.8	0.3	<0.05	<0.05	1.1	0.3	0.6	1.4	0.7	0.1
ANTAB2-412	0.5	7.1	75	33.1	30.9	1.2	<2	0.6	0.25	<0.05	0.05	0.6	0.19	0.3	1	0.9	0.1
ANTAB2-413	0.4	5.9	520.7	46.5	38.1	1.3	<2	0.7	1.65	<0.05	0.08	0.7	0.28	0.3	0.8	0.6	0.1
ANTAB2-414	0.7	10	1454	76.4	25.6	1.7	<2	0.9	0.62	<0.05	0.09	1.5	0.45	0.8	1.1	1.4	0.1
ANTAB2-415	1.4	10.8	32.7	143.5	3.54	3.6	<2	0.7	1.14	0.23	<0.05	3.9	0.76	1.7	2.8	9.2	0.7
ANTAB2-416	1.4	6.3	9.9	133.8	2.5	3.1	<2	0.9	3.57	0.22	<0.05	3.6	0.73	1.2	1.7	7.6	0.5
ANTAB2-417	7.5	16.6	13.7	82.8	0.62	6.9	<2	1.2	0.74	0.31	<0.05	10.1	0.35	2.8	0.9	11.9	1
ANTAB2-418	4.8	15.3	14.1	131.7	2.44	7.4	<2	1	0.83	0.28	<0.05	8.8	0.61	2.9	1.7	10.2	0.9
ANTAB2-419	6.6	14.3	11.5	56.4	2.4	7.5	<2	1.2	0.66	0.41	<0.05	7.1	0.29	2.5	1.8	15	1.4
ANTAB2-420	1	14.4	27.2	52.9	11.4	2.1	<2	0.9	0.56	0.13	<0.05	1.8	0.25	0.5	5	3.9	0.3
ANTAB2-422	2.2	9.8	26.3	51.1	5.64	4.5	<2	0.9	0.43	0.08	0.93	6.4	0.26	1.1	5.1	2.4	0.3
ANTAB2-423	1.3	11.6	1105	61.4	18.7	1.9	3	0.6	0.25	<0.05	0.07	1.7	0.4	0.5	2.5	1.1	0.1
ANTAB2-424	1.7	11.4	418	127.5	273.1	3.8	<2	0.9	0.65	0.05	0.12	3.7	0.71	1	3.2	1.4	0.1
ANTAB2-425	3.4	13.1	61.9	141.5	12.5	6.2	<2	0.9	1.12	0.17	<0.05	5	0.8	1.9	5.6	5.5	0.6
ANTAB2-426	1.3	13.8	20000	111.6	354.1	3.3	<2	1	1	0.07	<0.05	3.3	0.64	1.2	2.3	2.2	0.2
ANTAB2-427	1.8	9	1003	182.9	76.4	4.8	2	1.1	1.32	0.05	0.33	4.9	1.08	0.8	4.4	1.5	0.2
ANTAB2-428	1.5	12.3	64.5	207.8	7.06	4.8	<2	0.8	0.36	0.16	0.15	5.2	1.15	1.4	4.9	6.2	0.5
ANTAB2-429	1.8	11.1	38.1	96.5	9.31	3.6	<2	1.2	0.46	0.13	0.11	3.3	0.48	1.1	3.8	3.4	0.3
ANTAB2-430	1.6	10.5	18.4	97.6	18.5	2.6	<2	1.3	1.54	<0.05	0.24	3.1	0.49	0.8	6.5	1.2	0.1
ANTAB2-432	2.2	9.5	17.3	93.2	2.92	2.3	<2	0.8	1.46	0.15	<0.05	3.9	0.42	1.2	0.6	5	0.4
ANTAB2-433	0.4	10.6	46.8	15.6	12.1	1.4	<2	0.5	0.32	0.09	2.6	1.4	0.14	1.7	2.3	3.2	0.2
ANTAB2-434	4.1	3.9	47.8	204.1	14.5	7.9	3	1	1.23	0.22	2.22	9.4	1.05	3	9.4	8.6	0.6
ANTAB2-435	0.5	13.3	9	45.3	12	1.6	<2	1	0.62	<0.05	0.23	1	0.22	0.7	3.9	1.1	0.1
ANTAB2-436	2.2	12.4	12.6	108.1	2.67	5.1	<2	0.9	0.98	0.13	0.89	5.4	0.56	1.5	5	3.8	0.4
ANTAB2-437	0.6	6.3	7.3	41.6	11.4	1	<2	0.5	0.41	<0.05	0.14	1.4	0.25	0.4	2.1	0.8	0.1
ANTAB2-438	2.4	12.6	14.2	136.8	4.26	4.1	<2	1	0.55	0.19	0.18	6.2	0.64	1.7	6.3	6.3	0.5
ANTAB2-439	2.1	12.8	18.1	125	3.82	3.9	<2	0.9	0.59	0.08	0.59	6.6	0.62	1.1	5.4	2.6	0.2
ANTAB2-440	1.8	11.8	65.6	100.8	4.85	3.7	<2	0.6	0.33	0.11	0.66	6.1	0.49	1.5	5.1	3.5	0.3
ANTAB2-442	0.7	6.7	59.1	43.5	39.1	1.2	<2	0.8	0.22	<0.05	0.48	1.2	0.24	0.4	2	1.2	0.1
ANTAB2-443	1.5	19.3	13.3	46.2	6.78	3.8	<2	0.9	1.51	0.11	0.05	4.9	0.2	1.5	2.8	3.5	0.3
ANTAB2-444	1.8	7	19.1	193.1	2.7	3.3	<2	0.6	0.37	0.11	0.5	5.3	1	1.4	3	3.2	0.3
ANTAB2-445	2.1	6.9	42.1	151.8	11.9	3.5	8	0.9	1.32	0.07	1.06	6.1	0.75	1.1	2.7	2	0.2

Código	Au	Al	Ba	Ca	Cr	Cu	Fe	K	Li	Mg	Mn	Na	P	S	Sr	Ti	V	Zn	Zr	Ag	As	Be	Bi	Cd	Ce	Co	Cs	Ga	Ge	Hf	In	La	Lu	Mo	Nb	Ni	Pb	Rb	Sb	Sc	Se	Sn	Ta	Tb	Te	Th	Tl	U	W	Y	Yb
	ppb	%	ppm	%	ppm	ppm	%	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	%	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm	ppm
ANTAB2-446	21	6.71	2488	0.08	46	41.8	3.29	5.38	13	0.32	151	1.36	479	0.11	231.9	0.07	51	25	19.4	0.51	21	0.8	5.9	0.02	17.77	2.5	2.89	17.4	0.6	0.67	0.02	9.7	0.04	18.13	2.1	7	22	214.6	2.44	3.4	<2	0.9	0.31	0.06	0.54	7	1.17	1.2	4.2	1.9	0.2
ANTAB2-447	16	6.58	2704	0.07	47	411.8	5.69	4.42	10	0.63	310	1.45	456	0.55	243.7	0.07	69	43	41.9	2.28	15	0.8	147	<0.02	18.83	3.7	2.76	21.1	0.5	1.44	0.09	10.1	0.05	21.48	1.9	9	56.8	198.7	12.7	5	3	0.9	1.12	0.06	1.74	5.8	1.05	1.1	2.8	2	0.3
ANTAB2-448	13	7.12	2158	0.17	47	170.4	3.12	4.83	13	0.63	356	1.63	571	0.13	289.3	0.06	55	51	32	0.79	18	1.3	7.23	<0.02	19.17	5.6	2.8	19.3	0.6	1.19	0.04	8.7	0.06	20.23	2	8.8	19	206.8	2.46	4	<2	0.9	1	0.07	0.32	7.2	1.15	1.6	2.1	2.5	0.3
ANTAB2-449	8	5.68	1083	0.42	22	856.9	9.7	2.16	8	0.3	162	1.73	545	0.15	270.1	0.11	63	34	38.1	1.66	5	1.2	145.3	<0.02	12.91	4.4	2.79	17.9	0.7	1.4	0.17	6.9	0.05	9.04	3.1	6.7	46.2	110.3	6.55	2.4	<2	0.9	0.39	0.07	0.97	2.8	0.61	1.2	2.7	2.7	0.3
ANTAB2-450	7	6.97	894	0.14	52	331.4	4.22	3.13	18	0.96	1442	1.42	600	0.12	133.3	0.11	85	77	42.1	0.45	5	1.7	2.86	0.05	40.64	23	3.79	20.3	0.9	1.38	0.11	18.2	0.11	10.42	3.2	14.1	13.5	173.8	3.1	6.3	<2	0.9	1.76	0.2	<0.05	8.1	0.88	2.4	2.6	5.9	0.7
ANTAB2-452	13	5.88	693	0.5	56	27.9	4.7	2.42	18	0.74	859	1.18	507	0.81	75.3	0.08	72	74	20.6	0.78	26	1.4	7.15	0.08	38.31	18	4.56	18.3	0.6	0.71	0.12	20.6	0.08	10.64	2.9	11.9	22.3	158.3	3.68	4.4	<2	1	1.05	0.13	0.18	7.9	0.79	1.9	2.6	4.2	0.4
ANTAB2-453	7	7.4	713	0.29	59	18.9	3.99	2.84	18	1.05	1320	1.96	595	0.44	144.9	0.09	74	86	23.6	0.18	7	1.6	1.42	0.08	41.17	14.8	3.46	21.1	0.6	0.77	0.07	18.8	0.12	7.09	3	16	9	156.9	1.82	5.7	<2	1.2	0.54	0.23	<0.05	7.7	0.81	2.2	3.1	6.8	0.7
ANTAB2-454	19	3.98	998	0.03	33	38	9.45	2.09	19	0.33	173	0.33	525	0.87	35.1	0.06	74	33	24	0.68	12	1.1	18.5	<0.02	17.74	10.8	3.17	16.1	1.1	0.7	0.12	9.5	0.03	9.22	1.5	6.6	17.6	134.1	2.95	3.6	<2	0.9	0.3	0.05	0.2	4.9	0.64	1	1.7	1.5	0.2
ANTAB2-455	6372	0.94	63	0.03	51	368.9	11.09	0.27	37	0.04	187	0.24	239	0.09	5.4	0.02	30	35	25.3	5.03	37	0.8	17.3	<0.02	5.09	6.6	0.91	4.6	0.9	0.79	0.76	2.6	0.04	67.72	0.7	7.5	56.4	15.4	61.2	0.4	<2	0.6	1.01	0.06	<0.05	0.6	0.1	0.4	32.9	2.6	0.3
ANTAB2-456	7	6.72	3045	0.07	44	35.9	3.68	4.79	10	0.68	318	1.39	551	0.06	279.2	0.05	56	48	20	0.32	5	0.7	5.07	<0.02	23.78	3.6	2.32	18.6	0.5	0.67	0.02	13.1	0.03	21.45	1.6	8	14.4	189	1.46	3.3	<2	0.9	0.4	0.07	0.4	7.1	0.98	1	2.4	2	0.2
ANTAB2-457	68	1.5	2025	0.04	51	1347	3.5	0.41	28	0.19	329	0.3	162	0.11	24.3	0.03	24	32	8	6.44	11	0.5	4.56	0.03	6.23	7.1	0.91	4.9	0.1	0.26	1	3.2	0.02	15.81	1	10.2	4.8	23.4	24.9	1	<2	0.8	1.2	<0.05	<0.05	1.4	0.12	0.9	3.3	1.1	0.1
ANTAB2-458	11	3.28	129	0.07	46	272.3	5.65	1.04	22	0.45	1088	0.2	302	0.02	8.1	0.05	60	67	15.6	0.67	3	0.9	1.1	<0.02	19.39	9.3	3.04	11.9	0.3	0.5	0.42	9.4	0.06	9.13	1.2	11	4.8	64.3	8.31	3	<2	0.7	0.51	0.12	0.07	3.8	0.31	1.2	19.1	3.8	0.4
ANTAB2-459	6	2.7	70	0.06	68	27.2	2.09	0.56	24	0.49	759	0.71	236	<0.01	24.7	0.06	42	50	18.9	0.34	1	0.7	0.17	<0.02	11.75	3.7	1.14	7.8	0.3	0.57	0.07	5.5	0.03	9.89	1.3	14.8	3.3	33	11.9	1.7	<2	1	0.23	0.05	0.05	3.1	0.18	0.8	1.6	1.9	0.2
ANTAB2-460	141	5.1	431	0.06	34	11.8	6.77	1.1	28	0.2	157	1.71	456	0.11	88.9	0.06	56	50	39.9	0.68	16	1	7.12	0.04	24.37	7.5	3.6	17	1.3	1.29	0.12	13.8	0.04	9.17	1.7	6.8	22	69.1	3.44	3.7	<2	0.8	0.67	0.1	0.55	4.3	0.36	0.9	6.3	2.7	0.3